



Zpráva NRL ke dni 02. 10.2023

SARS-CoV-2: mikrobiologická situace v ČR, chřipka – situace v ČR a Evropě
NRL pro chřipku a nechřipková respirační virová onemocnění

Obsah:

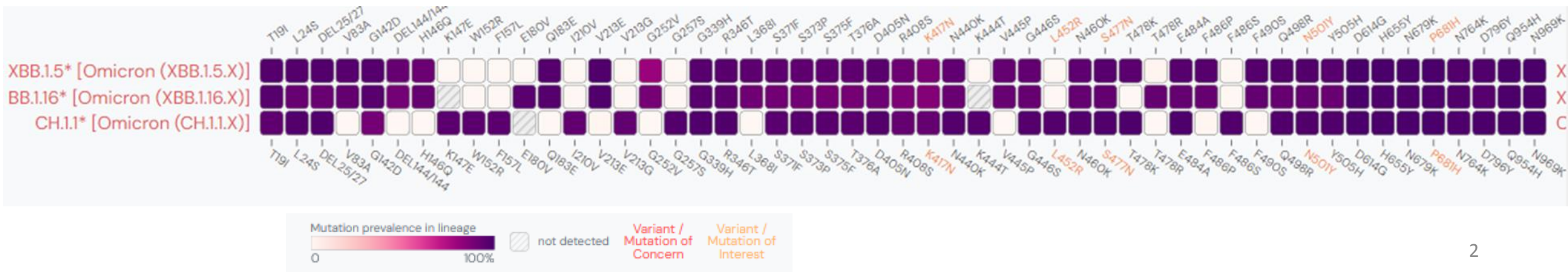
SARS-CoV-2 ČR PCR a molekulární data	Strana 2
SARS-CoV-2 globální data, aktuální situace	Strana 3 - 4
ARI/ILI – sentinel/nonsentinel virologická surveillance a surveillance OV v ČR,	Strana 5
Závěr	Strana 6

Přehled provedených testů za měsíc září/říjen je uveden v tabulce 1 (zdroj ÚZIS), vzhledem k malému počtu vyšetření nelze vyhodnotit diskriminační PCR, vyšetřované mutace neumožňují bližší identifikaci nových variant.

Tabulka 1a : Přehled provedených PCR od 12. 9. do 01.10.2023 (ÚZIS)

Celkový počet testů	Celkový počet se žádankou	Celkový počet pozitivních	Celkový počet diskriminačních PCR
4412	3523	855	5

SNP ve spike pro vybrané varianty

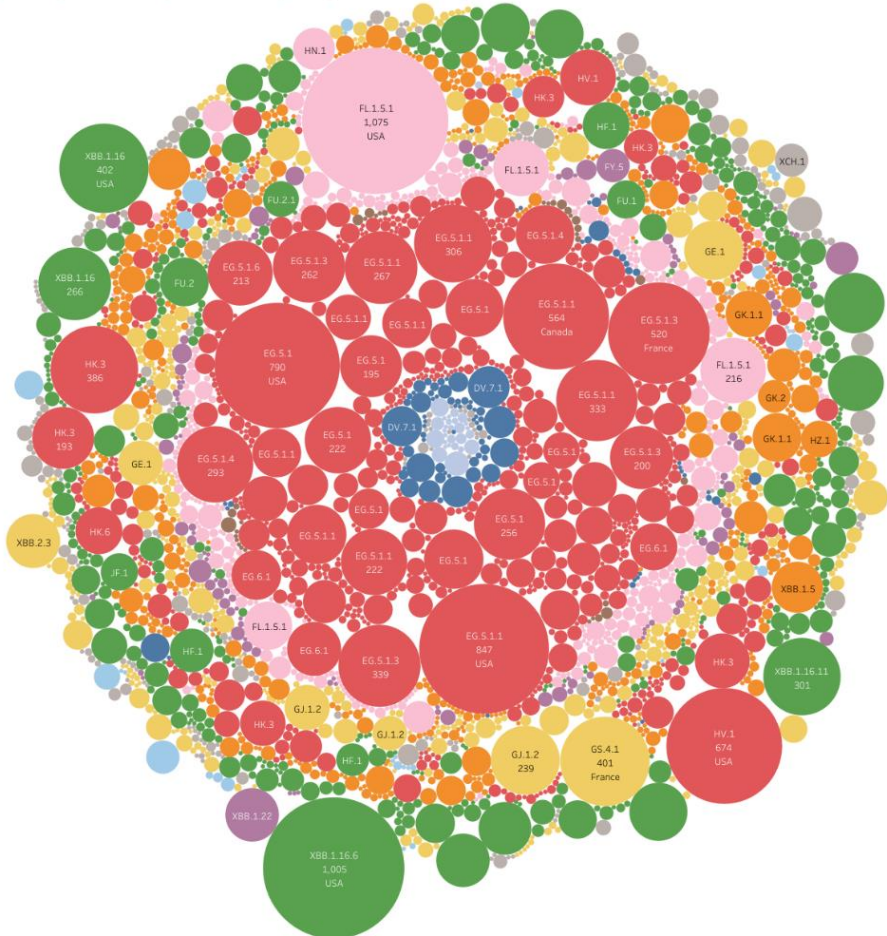


VOI								VUM				
WHO label	Lineage + additional mutations	Country first detected (community)	Spike mutations of interest	Year and month first detected	Impact on transmissibility	Impact on immunity	Impact on severity	WHO label	Lineage + additional mutations	Country first detected (community)	Spike mutations of interest	Year and month first detected
Omicron	BA.2.75 (x)	India	(y)	May 2022	Unclear (1)	Similar to Baseline (2-4)	No evidence	Omicron	CH.1.1	n/a	K444T, L452R	n/a
Omicron	XBB.1.5 -like (a)	United States	N460K, S486P, F490S	n/a	Baseline (5, 6)	Baseline (v) (5, 7)	Baseline (8)	Omicron	XBB.1.16	n/a	E180V, T478R, F486P	n/a
Omicron	XBB.1.5 -like + F456L (b) (e.g. EG.5 , FL.1.5.1 , XBB.1.16.6 , and FE.1)	n/a	F456L , N460K, S486P, F490S	n/a	Similar to Baseline	Increased (9)	Similar to Baseline	Omicron	BA.2.86	n/a	I332V, D339H, R403K, V445H, G446S, N450D, L452W, N481K, 483del, E484K, F486P	n/a

Kombinace sledovaných mutací (Guelli, GISAID)
V centru pozornosti evoluce: **455F/456L**

456L+478R (FL.1.5.1,XBB.1.16.6,XBB.1.16.9)
455F+456L (GK*, DV.7.1)
52H+456L (EG.5.1, FL.20)
478R+521S (GJ.1*, XBB.1.16.15)
478R+K304N (HF.1)
478R+613H (XBB.1.42.1)
E554K (FL.10.1)

Tracking Circulating SARSCoV2 Lineages - #Global #30DayTrends | NYITCOMResearch Report

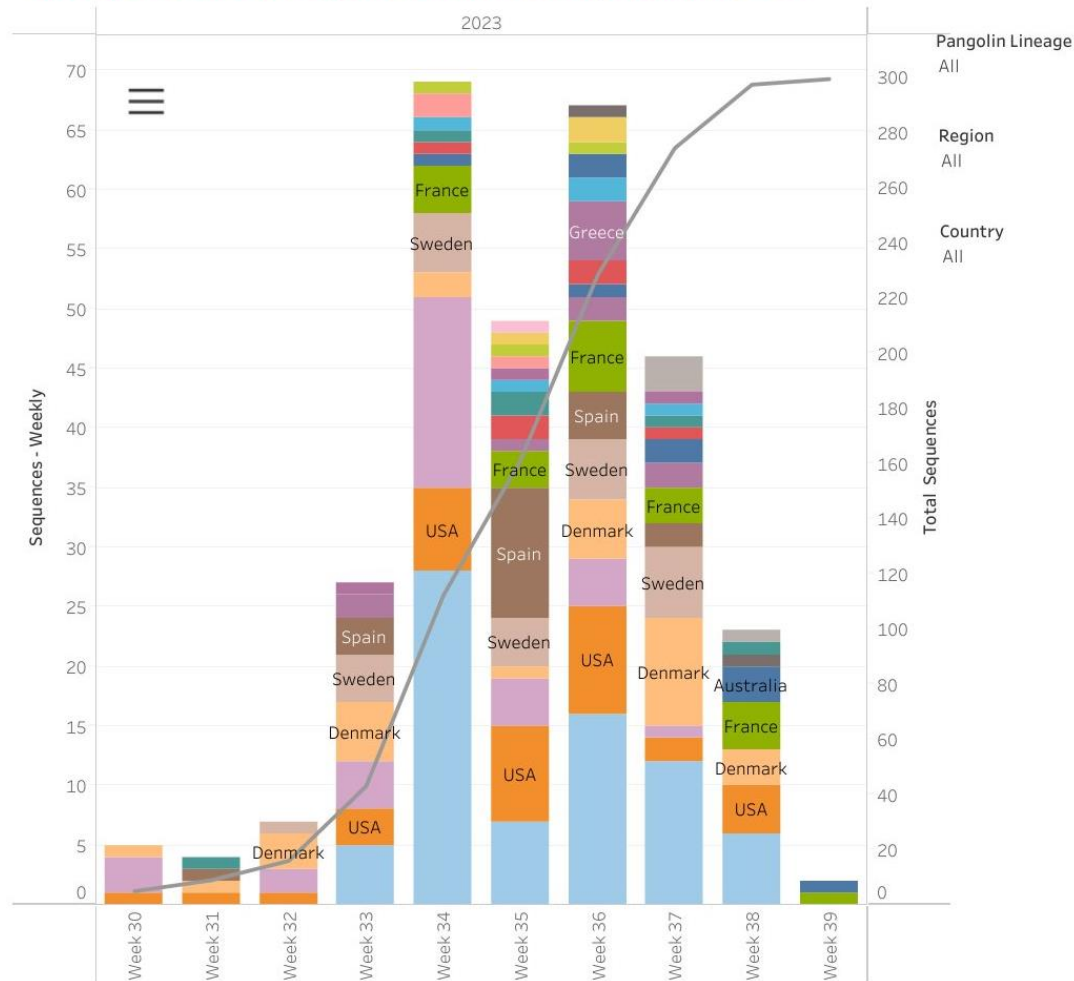


Přehled variant s výskytem >1%

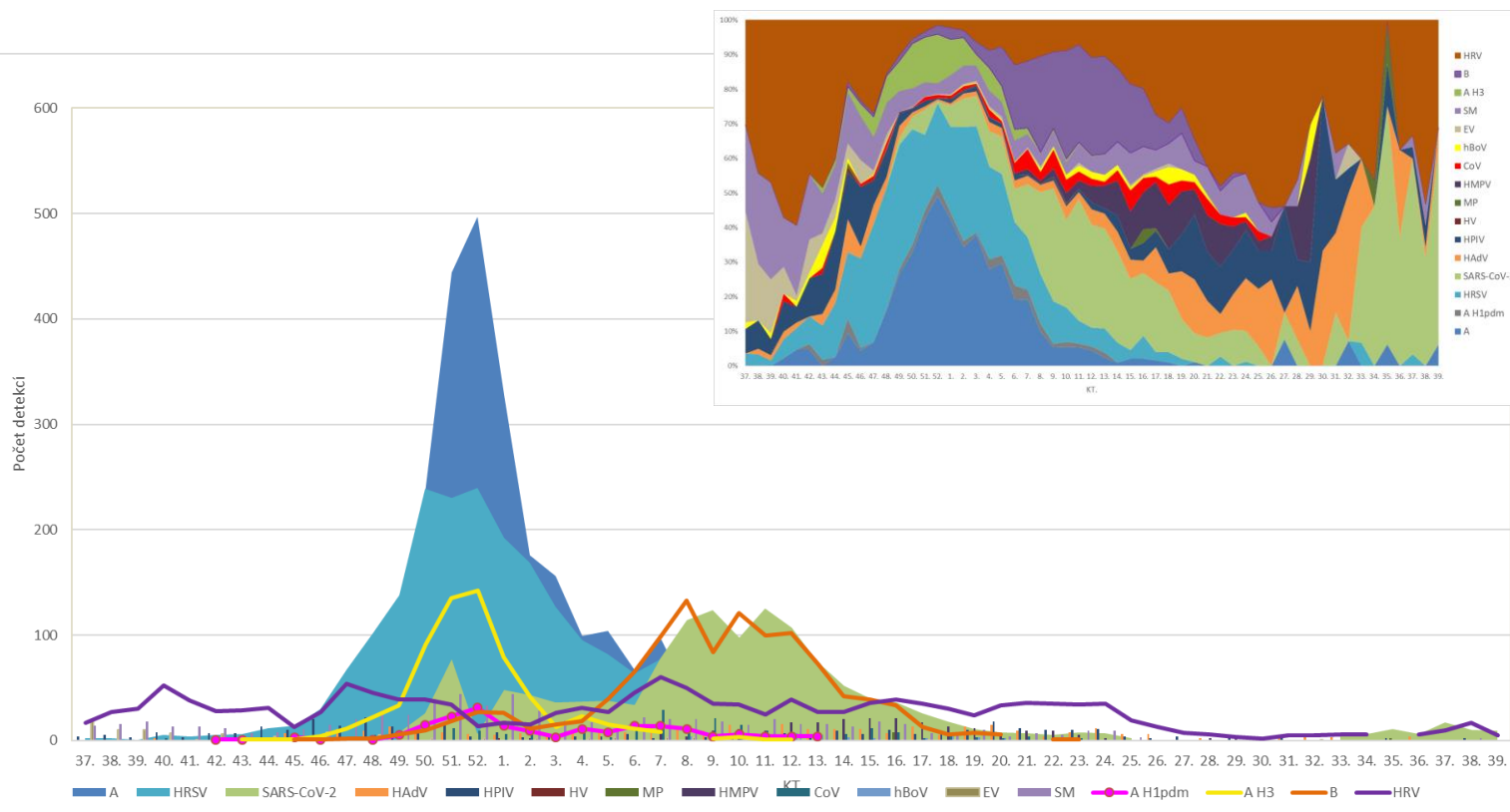
EG.5.1.1	10.9%	3,627
EG.5.1	7.2%	2,397
EG.5.1.3	5.9%	1,951
FL.1.5.1	5.5%	1,844
XBB.1.16.6	5.0%	1,668
HK.3	3.8%	1,268
XBB.1.16	3.4%	1,142
HV.1	2.9%	983
XBB.1.16.11	2.6%	877
EG.5.1.4	2.4%	798
GS.4.1	1.9%	625
GJ.1.2	1.7%	576
GE.1	1.7%	552
EG.6.1	1.6%	537
XBB.1.16.15	1.6%	525
EG.5.1.6	1.5%	505
DV.7.1	1.4%	465
GK.1.1	1.2%	413
HF.1	1.2%	405
XBB.1.16.1	1.0%	318
XBB.2.3	1.0%	318

© Circulating SARSCoV2 Lineages in Argentina, Australia, Austria and 59 more | #30DayTrends | Updated on 9/30/2023 11:45:10 PM | ** Data is dynamic and is constantly being updated - Source (sequences): GISAID | Summary of PANGO

Tracking SARSCoV2 Lineage BA.2.86* over time (Nickname: [Pirola](#))



Počty detekce varianty BA.2.86* klesají. Varianta má >35 mutací oproti běžně cirkulující variantě XBB.1.5. Přehled aktuálně detekovaných variant znázorňují obrázky výše. K majoritně detekovaným patří EG.5..x (ERIS), pozornost budí šíření nové subvarianty HV.1.



Virologická non sentinelová surveillace: Ze 148 vyšetření byly nejčastěji detekovány rhinoviry a SARS-CoV-2, ojediněle byly detekovány adenoviry a viry. Pozorujeme vzestup počtu vyšetření, a od 37. KT dominanci SARS-CoV-2 (≥ 10 detekcí).

Kalendářní týden (KT)		37.	38.	39.
Detekce viru	A			1
	A H ₁ pdm			
	A H ₃			
	B			
	HRSV	1		
	HAdV		1	1
	HPIV	1	2	
	HV			
	MP			
	HMPV			
	CoV			
	HRV	10	17	5
	hBoV			
	EV			
	SARS-CoV-2	17	10	9
	SM	1	2	
	Negat	199	242	197
Celkový počet vyšetření:		229	274	213

MZ vydalo pokyn k zajištění jednotného systému sentinelové surveillancce respiračních virů pro epidemickou sezonu 2023-2024 v podmínkách České republiky.

Virologie chřipka, SARS-CoV-2 a respirační viry

- Stále je nízký jak počet vyšetřených vzorků (tedy i pacientů s ARI/ILI obtížemi), tak procento pozitivních detekcí.
- Aktuálně v omezené míře cirkulují rhinoviry, viry parainfluenzy a ADV, k nejčastěji detekovaným patogenům patří SARS-CoV-2. Nemocnost odpovídá předchozím rokům (2021 a 2022).
- NRL nadále přijímá pozitivní vzorky z ambulancí praktických lékařů k vyšetření.
- NRL přijímá ke confirmaci/sekvenaci i další vzorky z nemocničních laboratoří.
- NRL doporučuje zachovat systém elektronické hlášenky pro všechny respirační infekce.
- Aktuálně se ve světě šíří nová monitorovaná varianta (VUM) BA.2.86, která je významně antigenně odlišná od variant SARS-CoV-2. Přestože není detekována často, stále pozorujeme nárůst počtu detekcí.