



# Zpráva - virologická surveillance ARI/ILI včetně molekulární surveillance SARS-CoV-2 k 04/05/2026

NRL pro chřipku a nechřipková respirační virová onemocnění

Ing. Lucie Mrázková, Ph.D., Mgr. Jan Náhlovský, Alena Janypková, MUDr. Radomíra Limberková

## EU/EHP 17. KT

Počet pacientů s příznaky respiračního onemocnění je na základní až nízké úrovni.

Evropská data za 17. KT nejsou k dispozici.

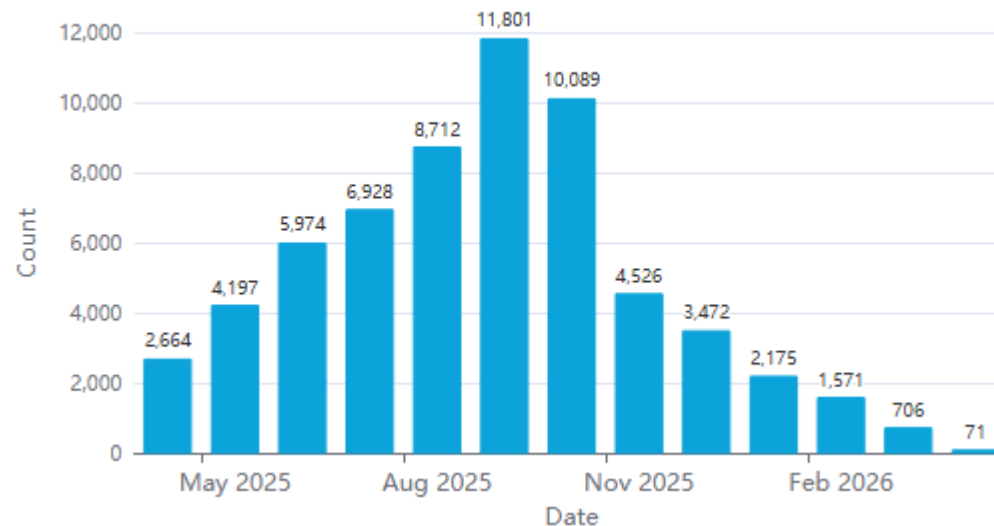
## Variants of Interest (VOI)

WHO label	Lineage + additional mutations	Country first detected (community)	Spike mutations of interest	Year and month first detected	Impact on transmissibility	Impact on immunity	Impact on severity	Transmission in EU/EEA
Omicron	BA.2.86	n/a	I332V, D339H, R403K, V445H, G446S, N450D, L452W, N481K, 483del, E484K, F486P	n/a	Baseline (6)	Baseline (6-8)	Baseline	Community

## Variants under monitoring

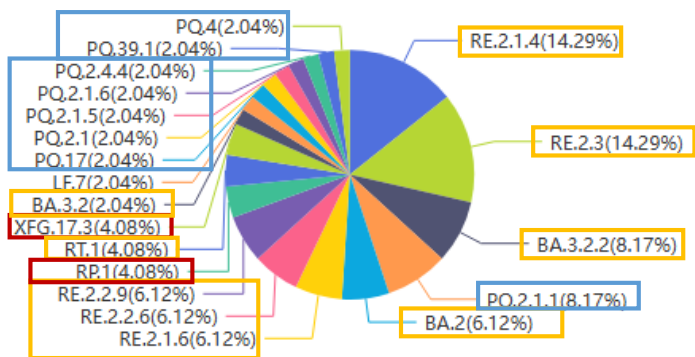
WHO label	Lineage + additional mutations	Country first detected (community)	Spike mutations of interest	Year and month first detected	Impact on transmissibility	Impact on immunity	Impact on severity	Transmission in EU/EEA
Omicron	NB.1.8.1	n/a	G184S, A435S, K478I	n/a	No evidence	No evidence	No evidence	Community
Omicron	XFG	n/a	S31P, K182R, K444R, N487D, T572I	n/a	No evidence	No evidence	No evidence	Dominant
Omicron	BA.3.2	South Africa	(r)	November 2024	No evidence	No evidence	No evidence	Community

Počet sekvenací v GISAID pro WHO Evropský region

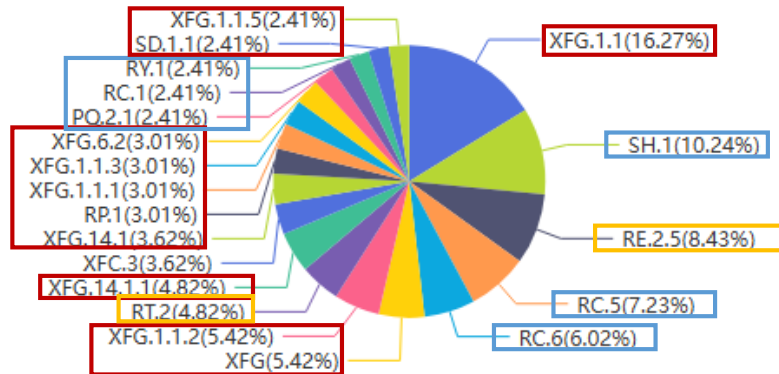


Kontinent	Evropa	Severní Amerika	Asie
Počet sekvenací	64	236	174

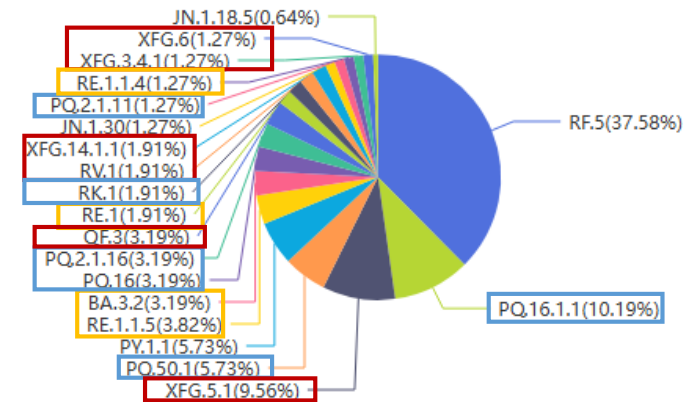
Evropa 2. 4. - 4. 5. 2026



Severní Amerika 2. 4. - 4. 5. 2026



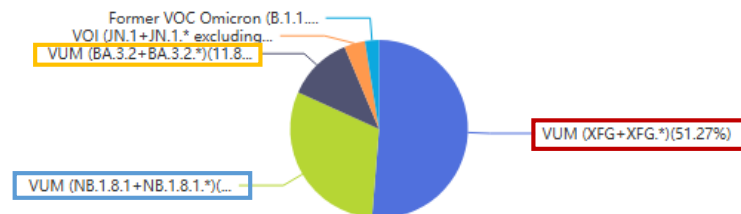
Asie 2. 4. - 4. 5. 2026



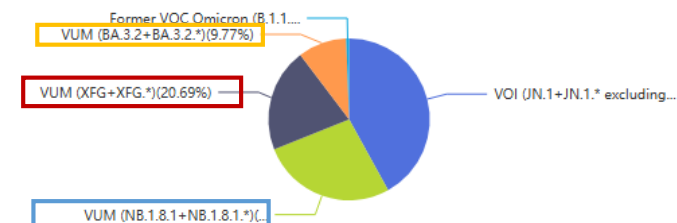
Evropa 2. 4. - 4. 5. 2026 (VUM)



Severní Amerika 2. 4. - 4. 5. 2026 (VUM)



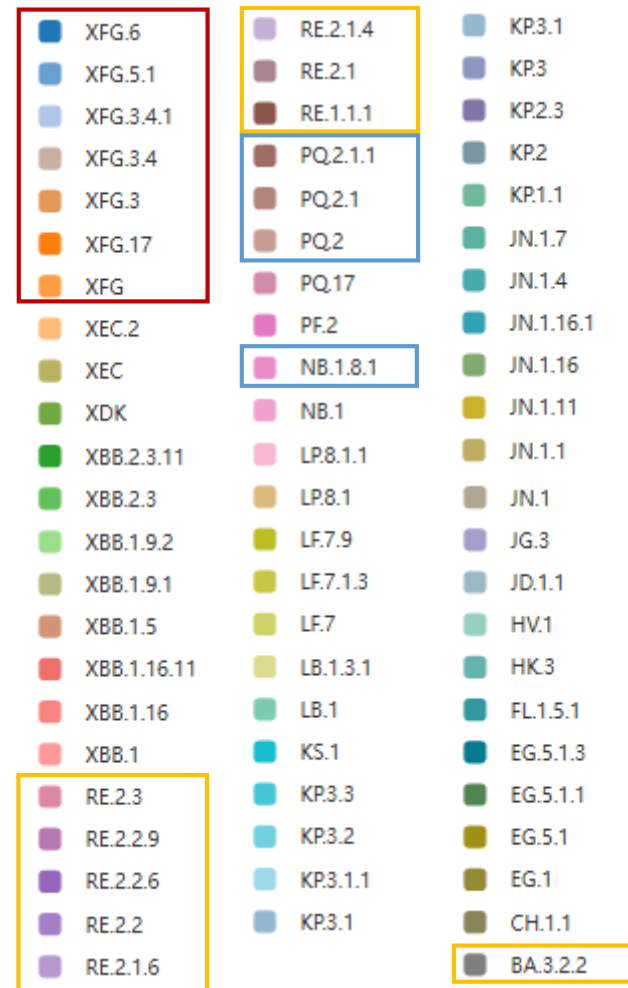
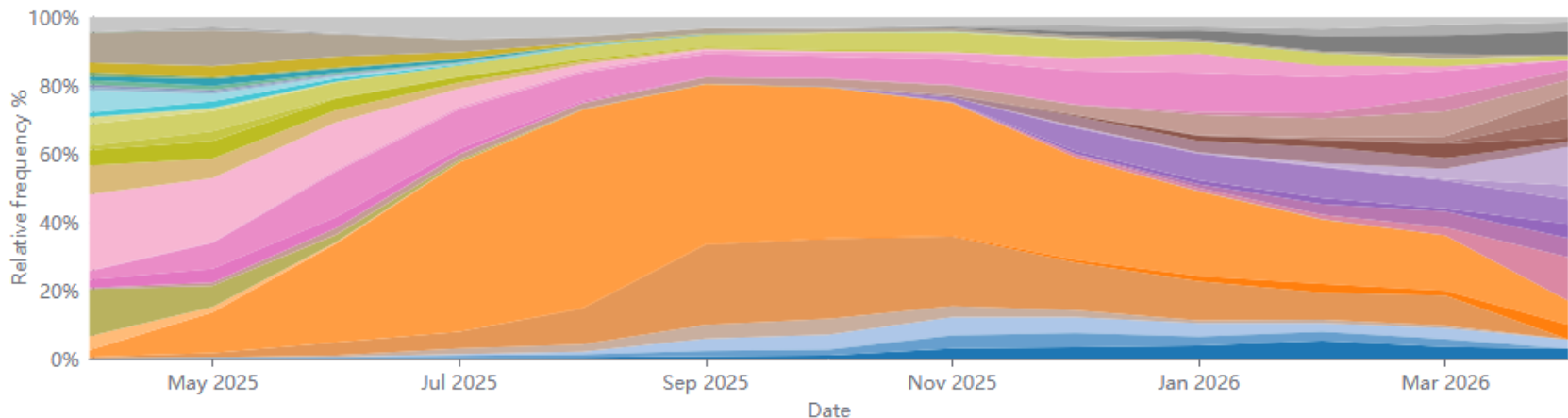
Asie 2. 4. - 4. 5. 2026 (VUM)



- BA.3.2.x (Cikáda)
- NB.1.8.1 (Nimbus)
- XFG.x (Stratus)

Z grafů vyplývá, že na každém ze zobrazených kontinentů je různé zastoupení sledovaných variant (VUM). V Evropském regionu převládá varianta BA.3.2.x (Cikáda). V severní Americe je nejvyšší četnost variant odvozených od XFG (Stratus) a v Asii mají nejvyšší četnost varianty odvozené od NB.1.8.1 (Nimbus).

## Zastoupení variant SARS-CoV-2 v Evropě podle relativní frekvence v čase



V Evropském regionu za poslední měsíc bylo osekvenováno 64 vzorků SARS-CoV-2, ve kterých převládá varianta BA.3.2.x (Cikáda). Z variant odvozených od BA.3.2.x se 9 variant umístilo mezi top 20 nejčetnějšími variantami v Evropském regionu: BA.2 (v GISAID určeno odlišně než podle Nextclade BA.3.2.x, již bylo řešeno na webexu NRL), BA.3.2, BA.3.2.2, RE.2.1.4, RE.2.1.6, RE.2.2.6, RE.2.2.9, RE.2.3 a RT.1. Z variant odvozených od XFG (Stratus) se 2 varianty umístily mezi top 20 nejčetnějšími variantami v Evropském regionu: RT.1 a XFG.17.3. Z variant odvozených od NB.1.8.1 (Nimbus) se 8 variant umístilo mezi top 20 nejčetnějšími variantami v Evropském regionu (tento výsledek je do značné míry zkreslený nízkým počtem sekvenací v regionu, neboť v 7 variantách je četnost sekvencí 1, což není vypovídající hodnota a při větším sekvenačním objemu by byly tyto varianty zanedbatelné a neměly by šanci se probíjet mezi top 20), proto uvádím pouze variantu: PQ.2.1.1, která měla četnost vyšší než 1 (4 sekvence).

**Variety BA.3.2, XFG a NB.1.8.1 spadají mezi monitorované varianty (VUM) podle WHO i ECDC.**

V ČR byly zachyceny a osekvenovány za poslední měsíc 2 vzorky, oba vzorky spadaly do variant odvozených od BA.3.2.x (Cikáda), konkrétně varianty: RU.1 a RE.2.2.6.



# ARI/ILI: sentinel/nonsentinel virologická surveillance v ČR, 18. KT 2026 (předběžná data)

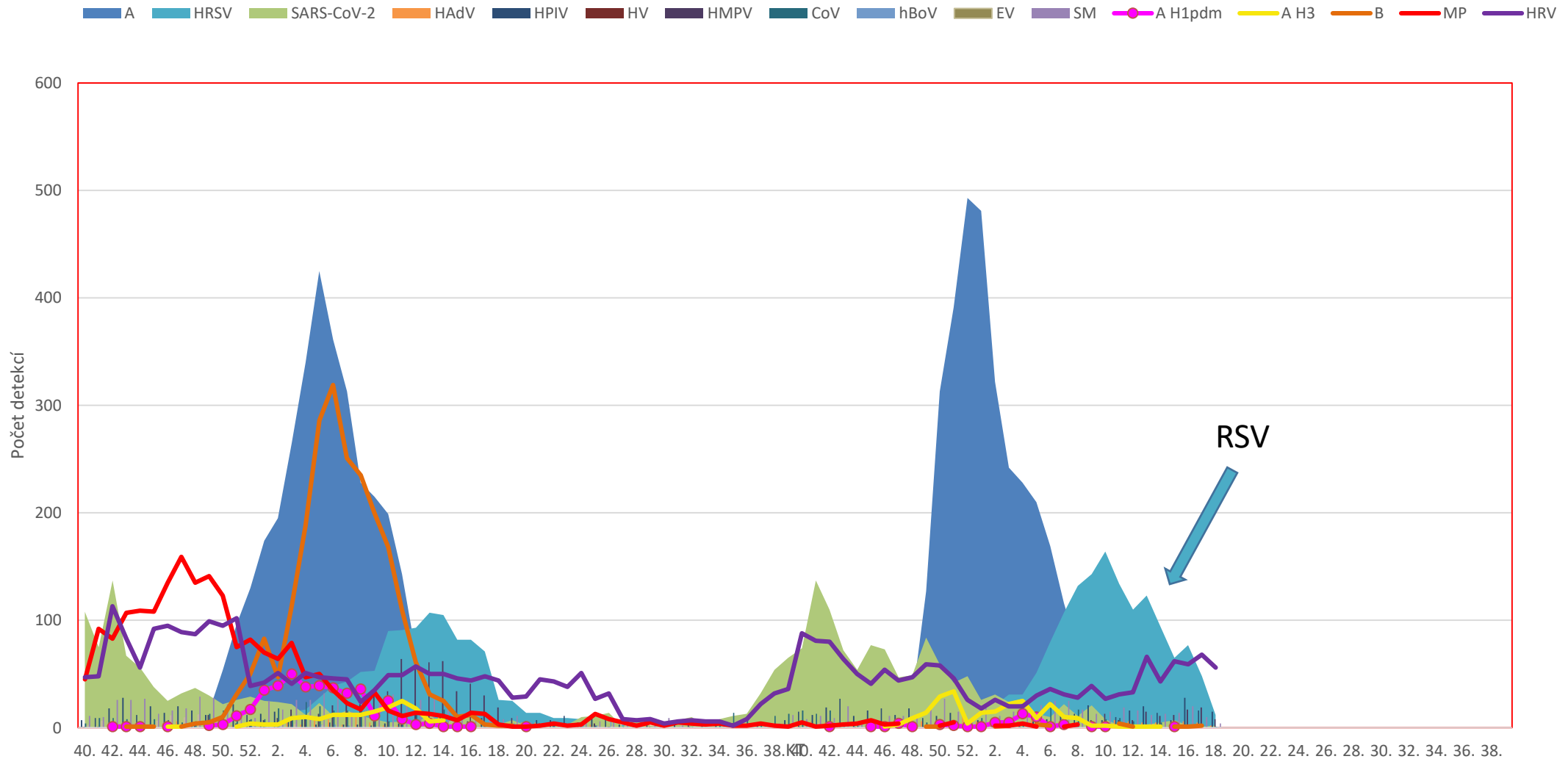
- V 18. KT byl zachycen pouze 1 vzorek obsahující virus chřipky A.
- Podíl pozitivních detekcí virů chřipky klesl na mimosezónní úroveň.
- Od 40. KT bylo v sentinelové i nonsentinelové surveillance detekováno celkem 3 632 případů chřipky typu A, z tohoto počtu bylo subtypováno pouze 284 vzorků. V 55 případech byl určen subtyp A/H1pdm, v 229 případech subtyp A/H3.  
Chřipka typu B cirkulovala minoritně a byla detekována pouze ve 22 případech.
- Dominantně cirkulujícím respiračním virem je nyní rhinovirus (54,9 %), záchyt respiračního syncytiálního viru (RSV) postupně klesá a v současné době činí necelých 12 % všech pozitivních záchytů.
- Dalšími majoritně cirkulujícími respiračními viry jsou viry parainfluenzy a metapneumovirus, jejichž podíl činí 14,7 % resp. 7,8 %.
- Podíl detekcí SARS-CoV-2 je velmi nízký.
- Celkový počet hlášených detekcí v non-sentinelové surveillance se i nadále snižuje.

## Virologická surveillance – data za 4 poslední KT

Kalendářní týden (KT)		15.	Podíl	16.	Podíl	17.	Podíl	18.	podíl	Kumulativně od 40.KT
Detekce viru	A	1		2		1		1		3348
	A H <sub>1</sub> pdm	1		0		0		0		55
	A H <sub>3</sub>	0		0		0		0		229
	B	1		1		2		0		22
	HRSV	65	35,9 %	77	35,1 %	48	27,7 %	12	11,7 %	1498
	HAdV	3	1,6 %	6	2,7 %	5	2,8 %	2		169
	HPIV	7	3,8 %	28	12,8 %	16	9,2 %	15	14,7 %	401
	HV	2		2		0		0		35
	MP	0		0		1		0		52
	HMPV	12	6,6 %	17	7,7 %	19	10,9 %	8	7,8 %	141
	CoV	4	2,9 %	3	1,4 %	2		1		194
	HRV	62	34,2 %	59	26,9 %	68	39,3 %	56	54,9 %	1431
	hBoV	2		2		0		1		17
	EV	0		0		0		0		32
	SARS-CoV-2	7	3,8 %	2		1		2		1144
	SM	14	7,7 %	20	9,1 %	10	5,8 %	4	3,9 %	443
	pozitivní	181		219		173		102		9211
	negativní	743		791		688		496		32439
Celkový počet vyšetření:		924		1010		861		598		41650

Legenda: A – Influenza A; B – Influenza B; HRSV - Respirační syncytiální virus; HAdV – Adenovirus; HPIV – Parainfluenza; HV - Herpetické viry; MP – Mycoplasma; HMPV – Metapneumovirus; CoV – Coronavirus; HRV – Rhinovirus; hBoV – Bocavirus; EV – Enterovirus; SM - Smišená infekce

## Detekce respiračních virů – kumulativní počty



Legenda: A – Influenza A; B – Influenza B; HRSV - Respirační syncytiální virus; HAdV – Adenovirus; HPIV – Parainfluenza; HV - Herpetické viry; MP – Mycoplasma; HMPV – Metapneumovirus; CoV – Coronavirus; HRV – Rhinovirus; hBoV – Bocavirus; EV – Enterovirus; SM - Smíšená infekce



## EU/EHP 17. KT

- Počet pacientů s příznaky respiračního onemocnění je na základní až nízké úrovni.
- Evropská data za 17. KT nejsou k dispozici.

## Virologická surveillance ČR 18. KT

- V aktuálním kalendářním týdnu byl zachycen pouze 1 vzorek obsahující virus chřipky A. Podíl pozitivních detekcí virů chřipky klesl na mimosezónní úroveň.
- Od 40. KT bylo v sentinelové i nonsentinelové surveillance detekováno celkem 3 632 případů chřipky typu A, z tohoto počtu bylo subtypováno pouze 284 vzorků. V 55 případech byl určen subtyp A/H1pdm, v 229 případech subtyp A/H3. Chřipka typu B cirkulovala minoritně a byla detekována pouze ve 22 případech.
- Dominantně cirkulujícím respiračním virem je nyní rhinovirus (54,9 %), záchyt respiračního syncytiálního viru (RSV) postupně klesá a v současné době činí necelých 12 % všech pozitivních záchytů.
- Dalšími majoritně cirkulujícími respiračními viry jsou viry parainfluenzy a metapneumovirus, jejichž podíl činí 14,7 % resp. 7,8 %.
- Podíl detekcí SARS-CoV-2 je velmi nízký.
- Celkový počet hlášených detekcí v non-sentinelové surveillance se i nadále snižuje.

## Komentář k epidemické situaci

- Epidemiologický souhrn byl ukončen v 10. KT a bude součástí zprávy pouze v mimořádných situacích.
- Data o nemocnosti nadále uvádíme na webu SZÚ.