



Zpráva - virologická surveillance ARI/ILI včetně molekulární surveillance SARS-CoV-2 k 25/05/2026

NRL pro chřipku a nechřipková respirační virová onemocnění

Ing. Lucie Mrázková, Ph.D., Mgr. Jan Náhlovský, Alena Janypková, MUDr. Radomíra Limberková

EU/EHP 20. KT

Počet lidí hlásících příznaky virového respiračního onemocnění je na základní úrovni. To ukazuje na omezenou cirkulaci respiračních virů v EU/EHP.

Aktivita respiračního syncytiálního viru (RSV) se vrátila na základní mezisezónní úroveň.

Aktivita SARS-CoV-2 je od prosince 2025 na velmi nízké úrovni.

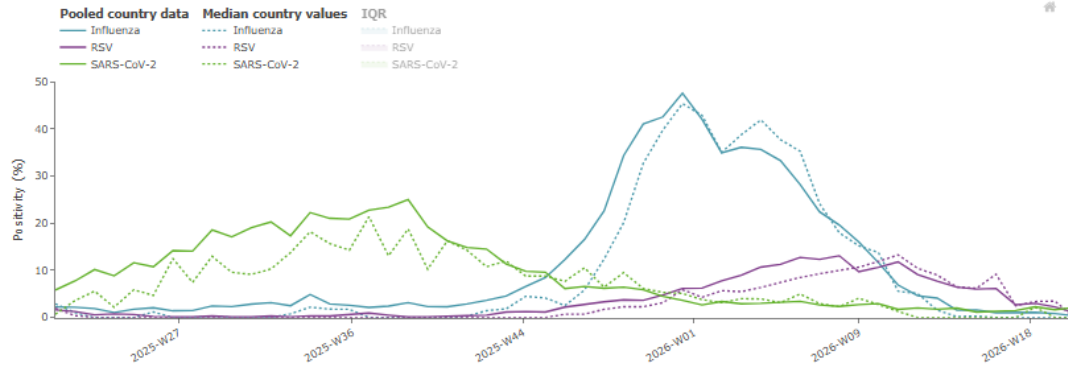
Aktivita viru chřipky zůstává již několik týdnů na základní úrovni.

Důležité upozornění: Evropský systém sledování (TESSy) je vyřazován z provozu a nahrazován systémem EpiPulse Cases. Data ERVISS nelze během tohoto přechodného období aktualizovat, ale publikace bude obnovena 22. června.

a)

ILI/ARI virological surveillance in primary care – weekly test positivity

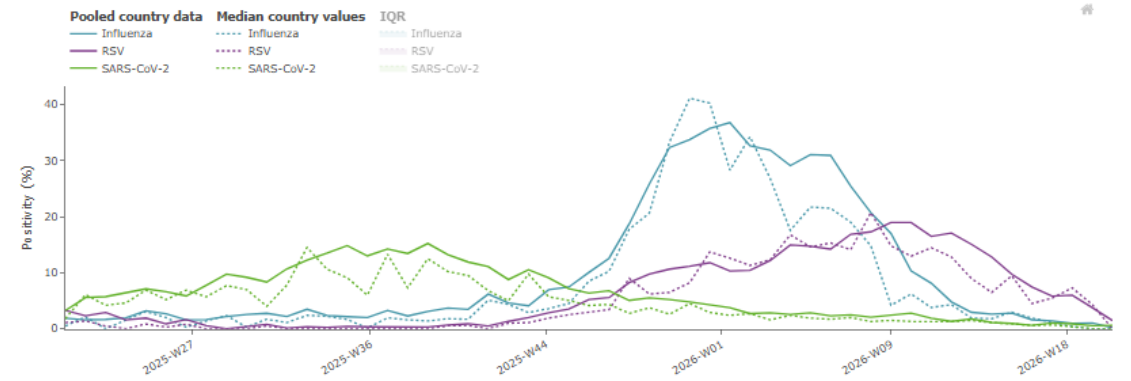
Figure Table



b)

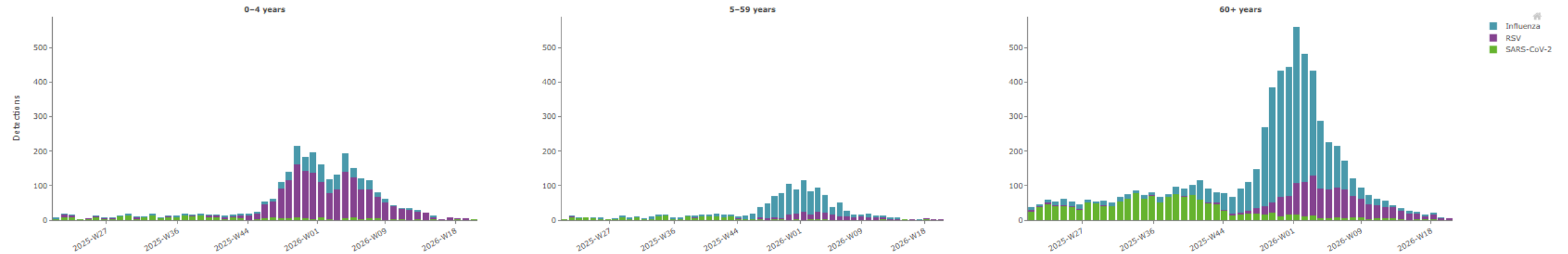
SARI virological surveillance in hospitals – weekly test positivity

Figure Table



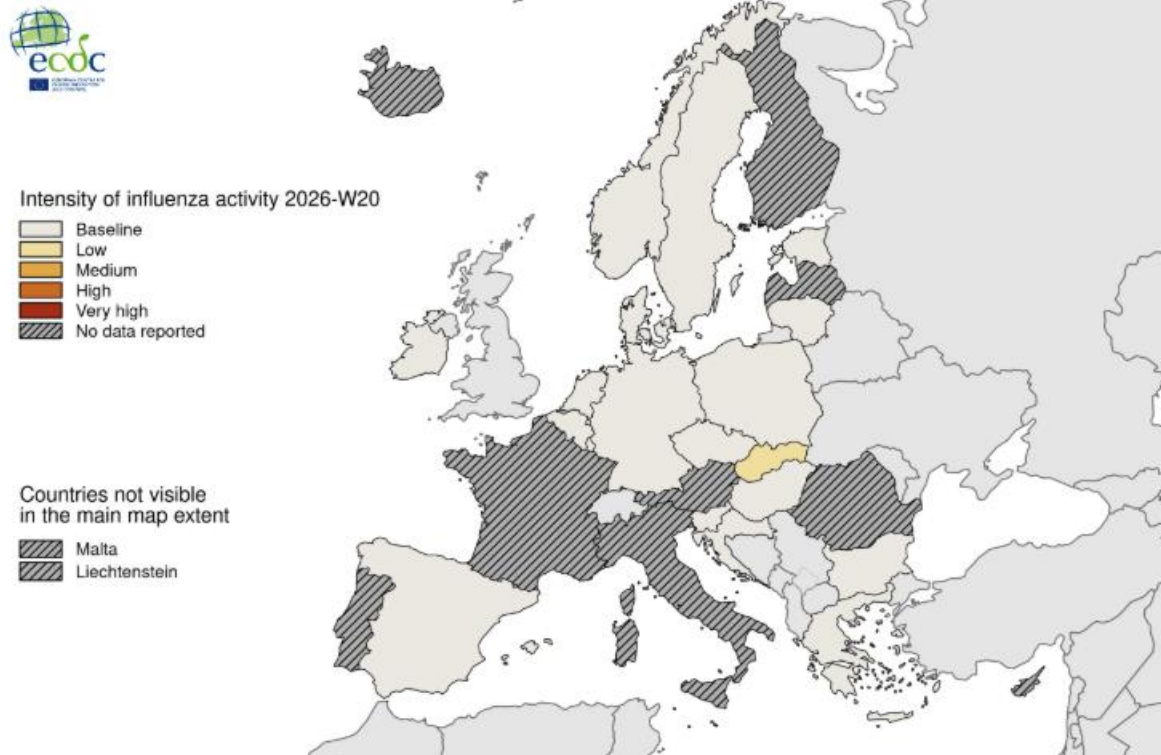
c)

Weekly detections by age

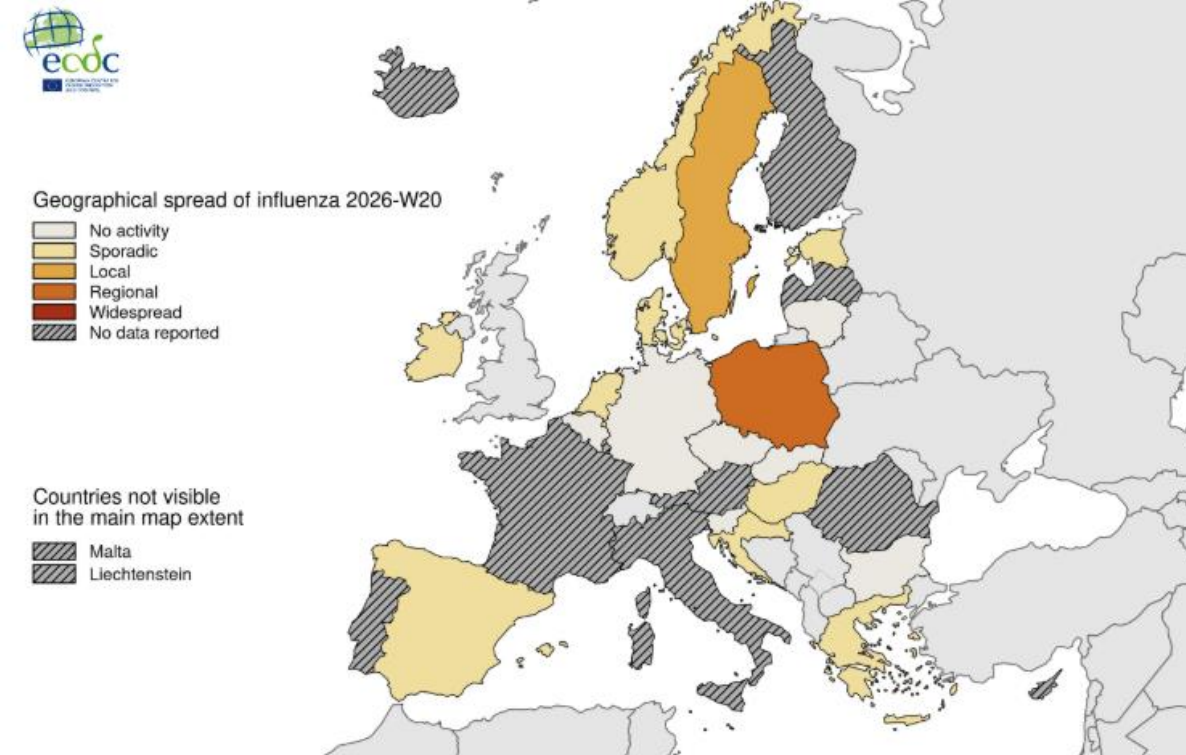


Indicator	Syndrome or pathogen	Reporting countries		Description	EU/EEA summary
		Week 20	Week 19		
ILI/ARI consultation rates in primary care	ARI	13 rates (9 MEM)	16 rates (11 MEM)	Distribution of country MEM categories	9 Baseline
	ILI	16 rates (15 MEM)	19 rates (18 MEM)		15 Baseline
ILI/ARI test positivity in primary care	Influenza	17	19	Pooled (median; IQR)	0.4% (0; 0-0%)
	RSV	15	18		1.1% (0; 0-0.2%)
	SARS-CoV-2	15	18		2.1% (0; 0-0%)
SARI rates in hospitals	SARI	10 rates (5 MEM)	13 rates (7 MEM)	Distribution of country MEM categories	4 Baseline 1 Medium
SARI test positivity in hospitals	Influenza	7	10	Pooled (median; IQR)	0.2% (0; 0-0%)
	RSV	7	9		1.5% (0; 0-5.2%)
	SARS-CoV-2	6	10		0.6% (0; 0-0%)
Intensity (country-defined)	Influenza	19	22	Distribution of country qualitative categories	18 Baseline 1 Low
Geographic spread (country-defined)	Influenza	18	21	Distribution of country qualitative categories	7 No activity 9 Sporadic 1 Local 1 Regional

Intensity of influenza activity 2026-W20

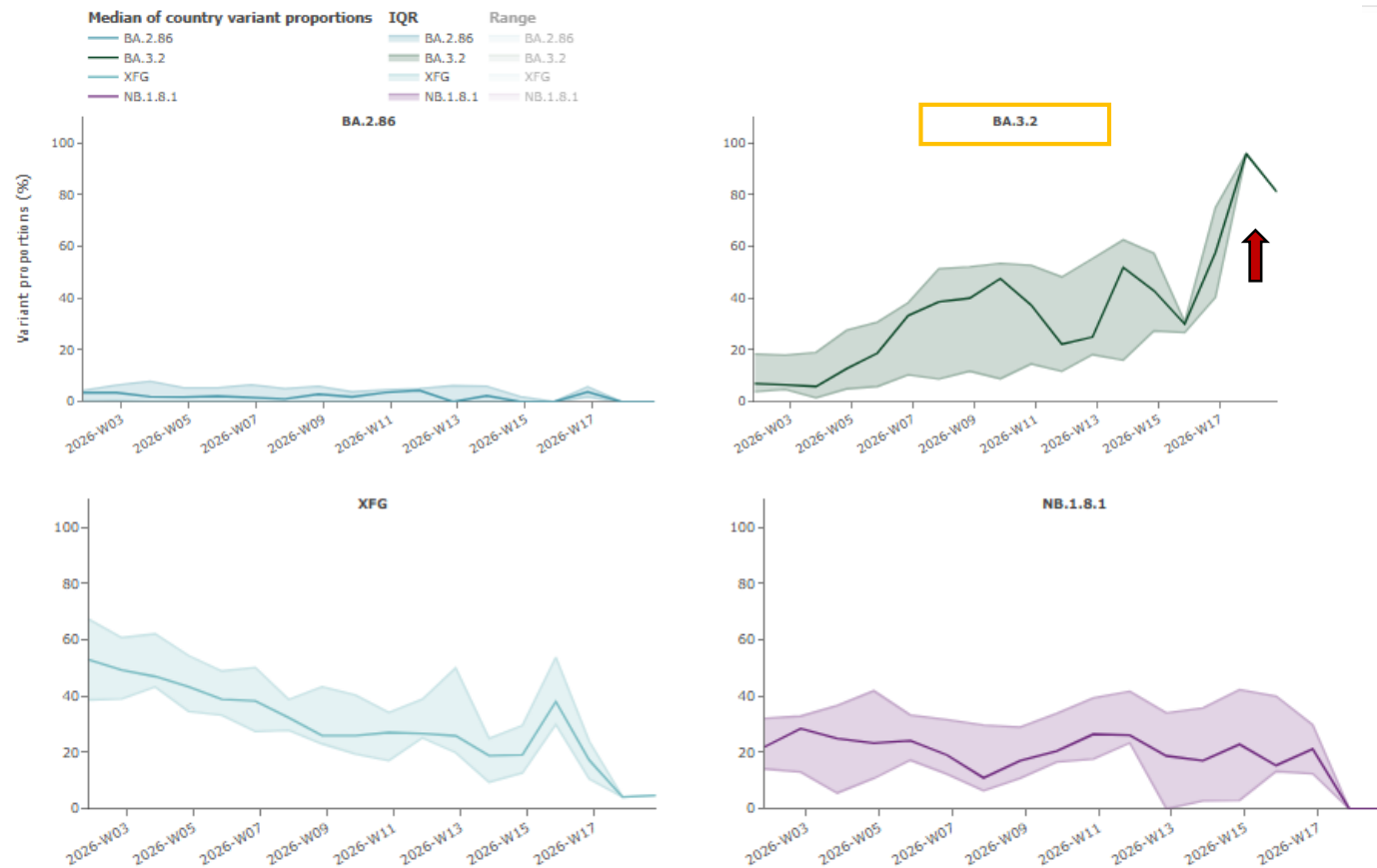


Geographical spread of influenza 2026-W20



Distribuce sledovaných variant (BA.2.86, BA.3.2, XFG, NB.1.8.1)

Distribution of 2-weekly country variant proportions



Objem sekvenace v 18. a 19. týdnu 2026

Map of volume of sequencing or genotyping, 2026-W18 to 2026-W19



Detectable prevalence based on volume of sequencing or genotyping undertaken during 2026-W18 to 2026-W19



Countries not visible in the main map extent

- Malta (Hatched)
- Liechtenstein (Hatched)



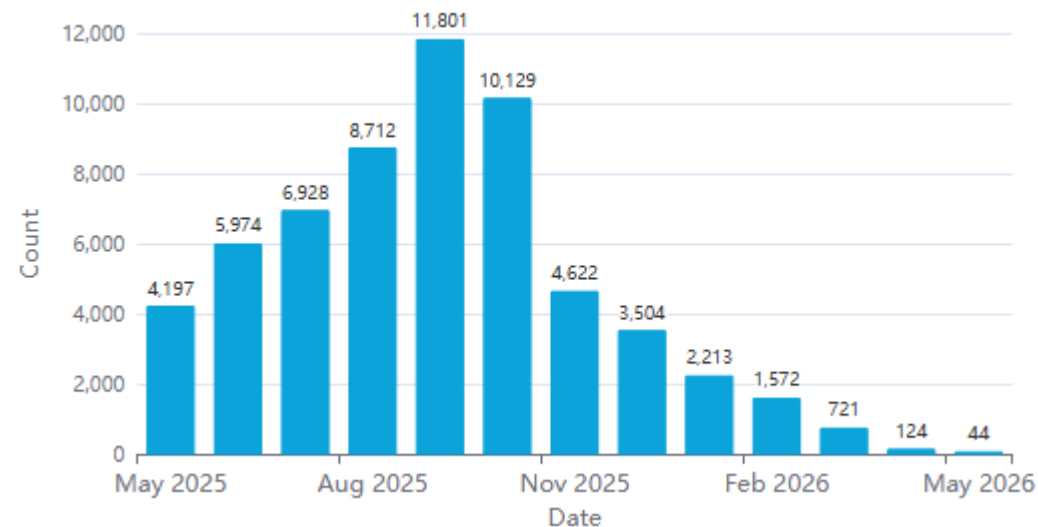
Variants of Interest (VOI)

WHO label	Lineage + additional mutations	Country first detected (community)	Spike mutations of interest	Year and month first detected	Impact on transmissibility	Impact on immunity	Impact on severity	Transmission in EU/EEA
Omicron	BA.2.86	n/a	I332V, D339H, R403K, V445H, G446S, N450D, L452W, N481K, 483del, E484K, F486P	n/a	Baseline (6)	Baseline (6-8)	Baseline	Community

Variants under monitoring

WHO label	Lineage + additional mutations	Country first detected (community)	Spike mutations of interest	Year and month first detected	Impact on transmissibility	Impact on immunity	Impact on severity	Transmission in EU/EEA
Omicron	NB.1.8.1	n/a	G184S, A435S, K478I	n/a	No evidence	No evidence	No evidence	Community
Omicron	XFG	n/a	S31P, K182R, K444R, N487D, T572I	n/a	No evidence	No evidence	No evidence	Dominant
Omicron	BA.3.2	South Africa	(r)	November 2024	No evidence	No evidence	No evidence	Community

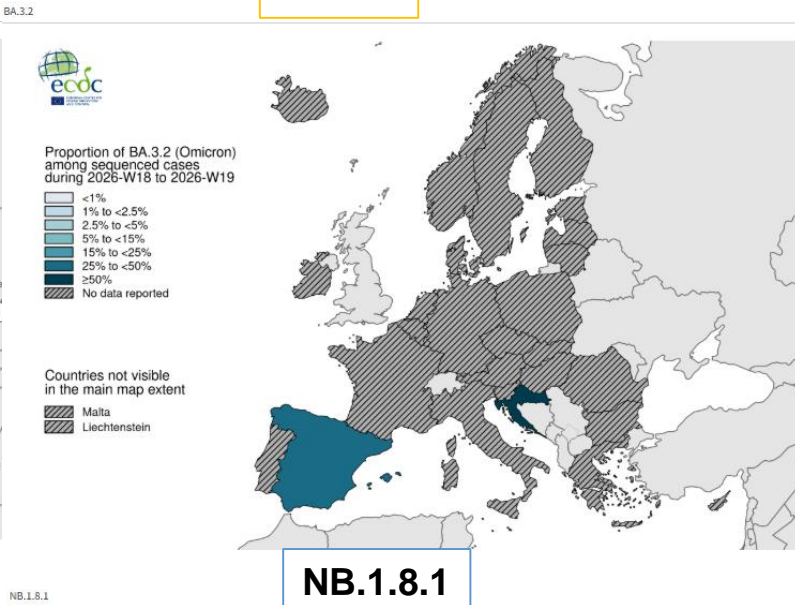
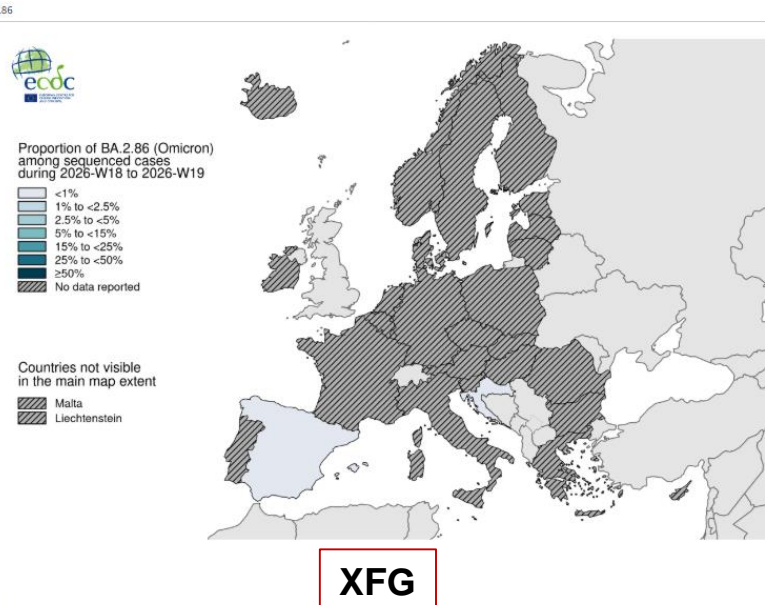
Počet sekvenací v GISAID pro WHO Evropský region



Distribuce sledovaných variant v Evropě v 18. týdnu - 19. týdnu (BA.2.86, BA.3.2, XFG, NB.1.8.1)

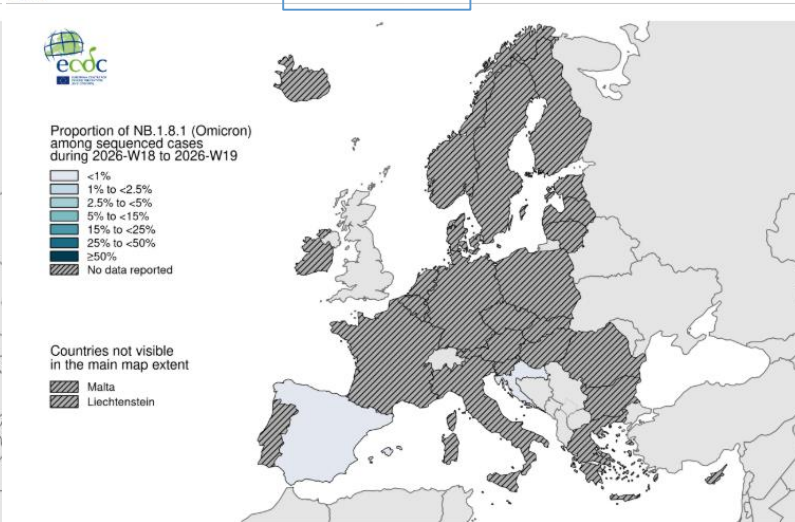
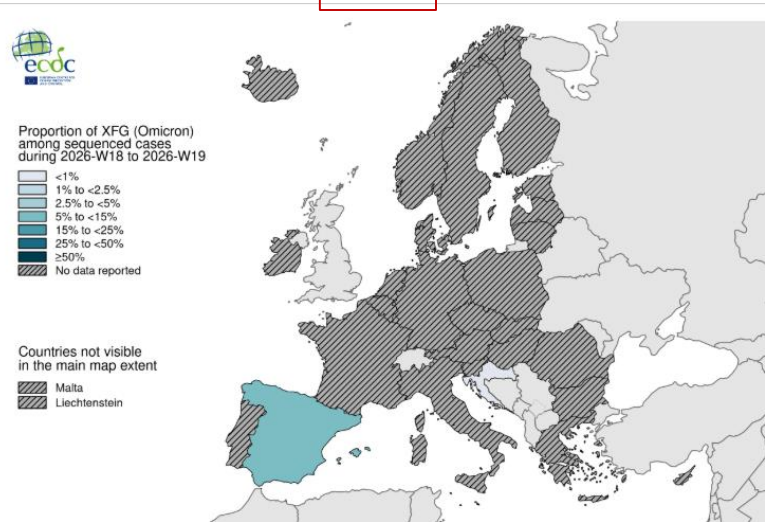
BA.2.86

BA.3.2



XFG

NB.1.8.1



Počet sekvenovaných vzorků v 18. KT a 19. KT

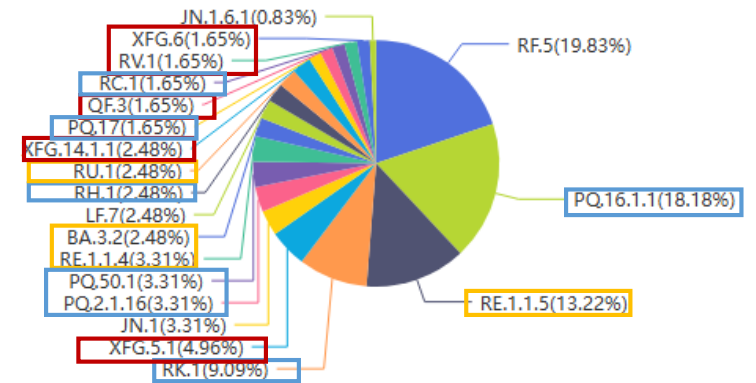
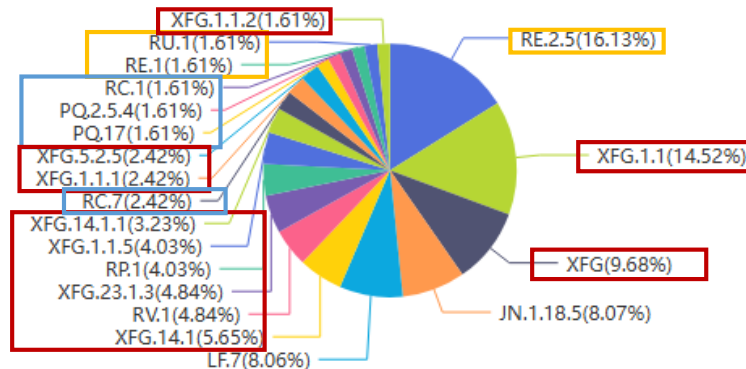
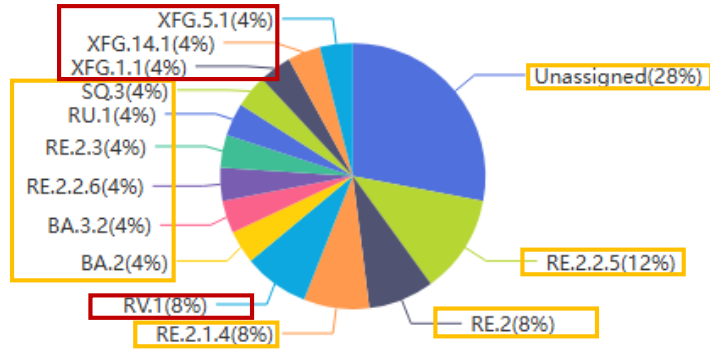
Country ↓	Data source ↓	Sequencing or genotyping volume	
		n ↓	Detection threshold ↓
Croatia	GISAID	1	>30%
Spain	GISAID	14	>30%

Kontinent	Evropa	Severní Amerika	Asie
Počet sekvenací	30	170	206

Evropa 25. 4. - 25. 5. 2026

Severní Amerika 25. 4. - 25. 5. 2026

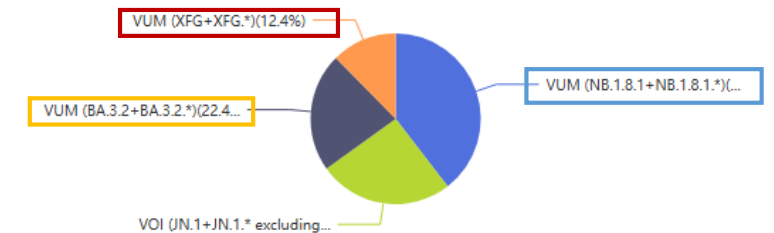
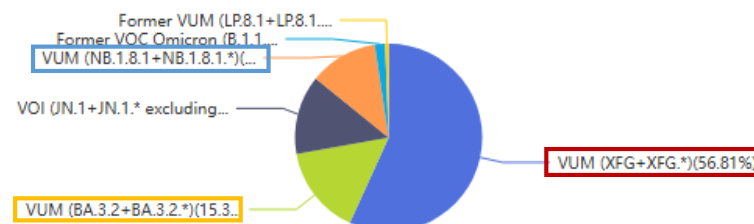
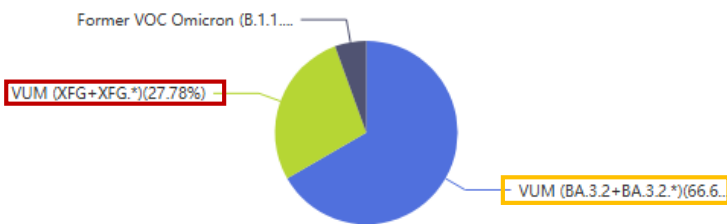
Asie 25. 4. - 25. 5. 2026



Evropa 25. 4. - 25. 5. 2026 (VUM)

Severní Amerika 25. 4. - 25. 5. 2026 (VUM)

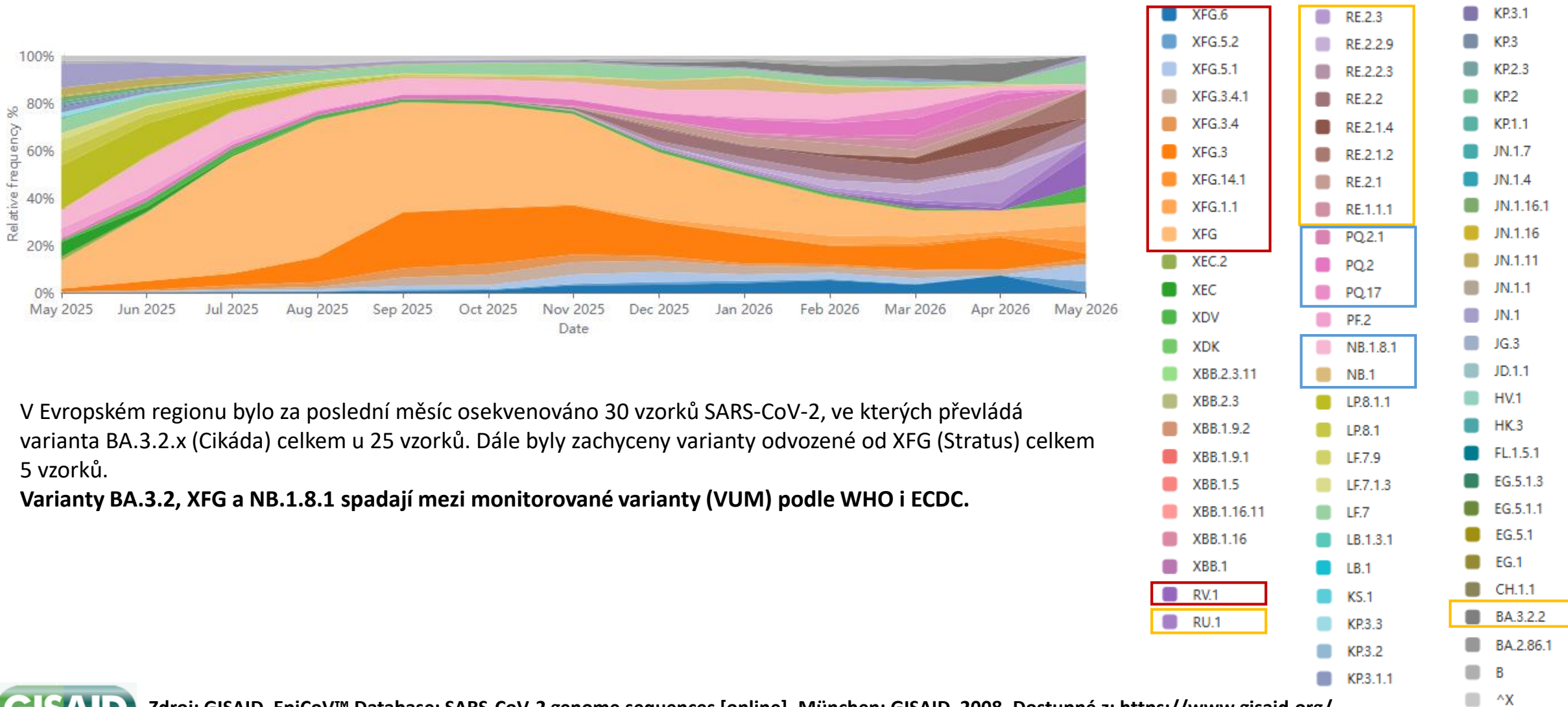
Asie 25. 4. - 25. 5. 2026 (VUM)



- BA.3.2.x (Cikáda)
- NB.1.8.1 (Nimbus)
- XFG.x (Stratus)

Z grafů (VUM) vyplývá, že na každém ze zobrazených kontinentů je různé zastoupení sledovaných variant (VUM). V Evropském regionu převládají varianty odvozené od BA.3.2.x (Cikáda). V severní Americe převládají varianty odvozené od XFG (Stratus) a v Asii je nejvyšší četnost variant odvozených od NB.1.8.1 (Nimbus).

Zastoupení variant SARS-CoV-2 v Evropě podle relativní frekvence v čase



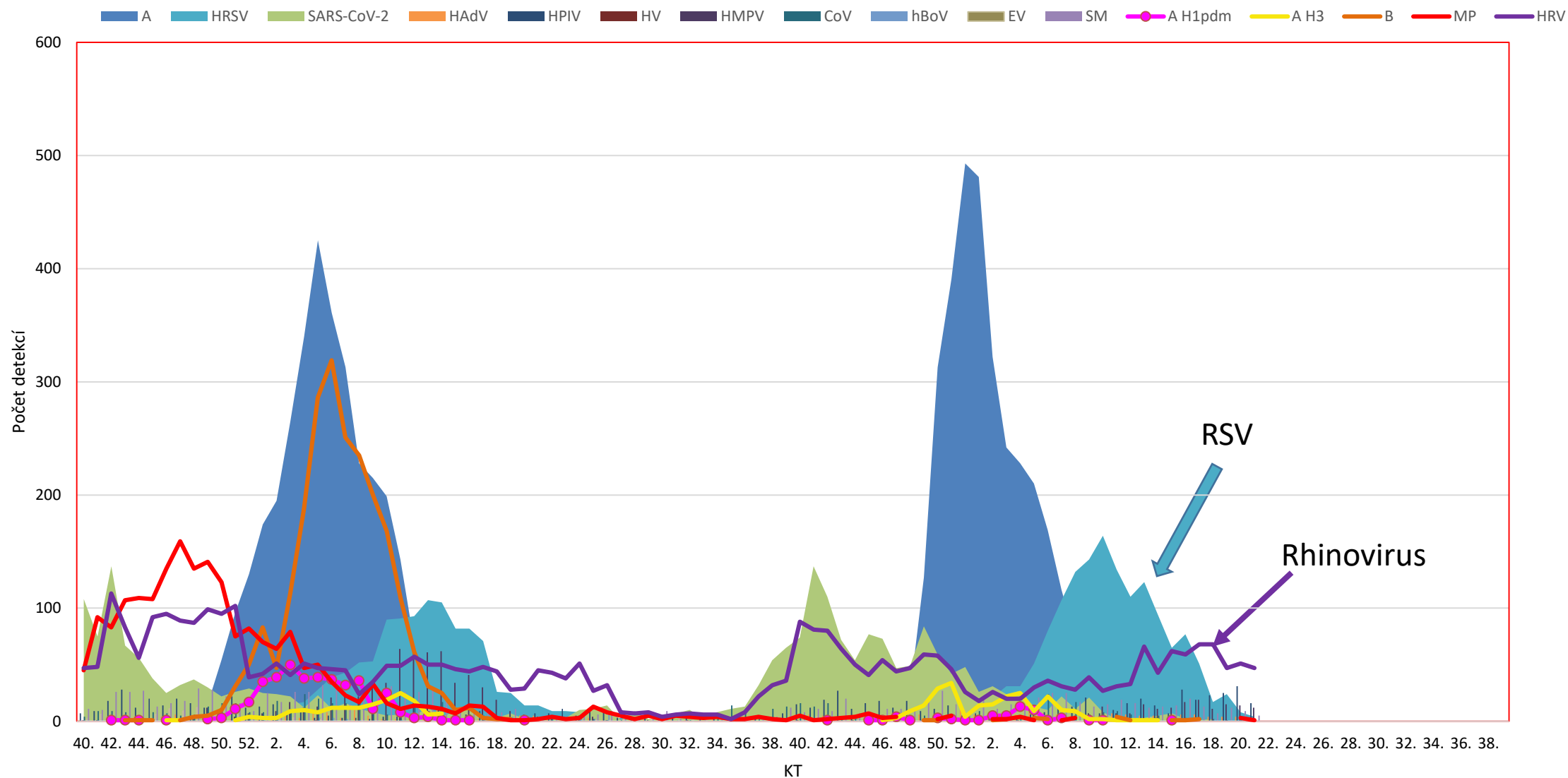
- Ve 21. KT nebyl zachycen žádný vzorek obsahující virus chřipky.
- Dominantně cirkulujícími respiračními viry jsou nyní rhinoviry, které představují více než polovinu všech pozitivních detekcí (52,8 %).
- Dalšími majoritně cirkulujícími respiračními viry jsou viry parainfluenzy (17,9 %) a metapneumoviry (13,48 %).
- Podíl respiračního syncytiálního viru (RSV) postupně klesá
- a podle předběžných dat činí necelých 5 %.
- SARS-CoV-2 nebyl v tomto týdnu detekován.
- Celkový počet hlášených detekcí v non-sentinelové surveillance se i nadále snižuje, což svědčí pro končící respirační sezónu.

Virologická surveillance – data za 4 poslední KT

Kalendářní týden (KT)		18.	podíl	19.	podíl	20.	podíl	21.	podíl	Kumulativně od 40. KT 2025
Detekce viru	A	1	0,7%	0	0,0%	2		0		3350
	A H ₁ pdm	0	0,0%	0	0,0%	0	0,0%	0		55
	A H ₃	0	0,0%	0	0,0%	0	0,0%	0		229
	B	0	0,0%	1	0,8%	0	0,0%	0		23
	HRSV	17	12,4%	24	18,5%	8	6,45%	4	4,5 %	1542
	HAdV	4	2,9%	4	3,1%	4	3,2%	2	2,2 %	182
	HPIV	23	16,8%	25	19,2%	31	25%	16	17,9 %	484
	HV	0	0,0%	0	0,0%	0	0,0%	1		36
	MP	0	0,0%	0	0,0%	3	2,4%	1		56
	HMPV	11	8,0%	15	11,5%	14	11,3%	12	13,48 %	185
	CoV	2	1,5%	1	0,8%	2		1		200
	HRV	68	49,6%	47	36,2%	51	41,1%	47	52,8 %	1588
	hBoV	2	1,5%	1	0,8%	0	0,0%	0		19
	EV	0	0,0%	0	0,0%	0	0,0%	0		32
	SARS-CoV-2	2	1,5%	0	0,0%	0	0,0%	0		1144
	Směšené infekce	7	5,1%	12	9,2%	9	7,25%	5	5,6 %	475
	pozitivní	137	18,9%	130	17,4%	124	18,4%	89	17,8 %	9600
	negativní	586		617		551		411		34097
Celkový počet vyšetření:		723		747		675		500		43697

Legenda: A – Influenza A; B – Influenza B; HRSV - Respirační syncytiální virus; HAdV – Adenovirus; HPIV – Parainfluenza; HV - Herpetické viry; MP – Mycoplasma; HMPV – Metapneumovirus; CoV – Coronavirus; HRV – Rhinovirus; hBoV – Bocavirus; EV – Enterovirus; SM - Smíšená infekce

Detekce respiračních virů – kumulativní počty



Legenda: A – Influenza A; B – Influenza B; HRSV - Respirační syncytiální virus; HAdV – Adenovirus; HPIV – Parainfluenza; MP – Mycoplasma; HMPV – Metapneumovirus; CoV – Coronavirus; HV - Herpetické viry; HRV – Rhinovirus; hBoV – Bocavirus; EV – Enterovirus; SM - Smíšená infekce

EU/EHP 20. KT

- Počet lidí hlásících příznaky virového respiračního onemocnění je na základní úrovni. To ukazuje na omezenou cirkulaci respiračních virů v EU/EHP.
- Aktivita respiračního syncytiálního viru (RSV) se vrátila na základní mezisezónní úroveň.
- Aktivita SARS-CoV-2 je stabilně na velmi nízké úrovni.
- Aktivita viru chřipky zůstává již několik týdnů na základní úrovni.

Virologická surveillance ČR 21. KT

- Ve 21. KT nebyl zachycen žádný vzorek obsahující virus chřipky.
- Dominantně cirkulujícími respiračními viry jsou nyní rhinoviry, které představují více než polovinu všech pozitivních detekcí (52,8 %).
- Dalšími majoritně cirkulujícími respiračními viry jsou viry parainfluenzy (17,9 %) a metapneumoviry (13,48 %).
- Podíl respiračního syncytiálního viru (RSV) postupně klesá a podle předběžných dat činí necelých 5 %.
- SARS-CoV-2 nebyl v tomto týdnu detekován.
- Celkový počet hlášených detekcí v non-sentinelové surveillance se i nadále snižuje, což svědčí pro končící respirační sezónu.

Komentář k epidemické situaci

- Epidemiologický souhrn byl ukončen v 10. KT a bude součástí zprávy pouze v mimořádných situacích. Data o nemocnosti nadále uvádíme na webu SZÚ.