



Zpráva - virologická surveillance ARI/ILI včetně molekulární surveillance SARS-CoV-2 k 01/06/2026

NRL pro chřipku a nechřipková respirační virová onemocnění

RNDr. Helena Jiřincová, Ing. Lucie Mrázková, Ph.D., Mgr. Jan Náhlovský, Alena Janypková, MUDr. Radomíra Limberková

EU/EHP 21. KT

Evropská data k 21. KT nejsou k dispozici, mimo respirační sezónu jsou uveřejňována jednou za dva týdny.

Důležité upozornění:

Evropský systém sledování (TESSy) je vyřazován z provozu a nahrazován systémem EpiPulse Cases. Data ERVISS nelze během tohoto přechodného období aktualizovat. Vydávání zpráv bude obnoveno 22. června.

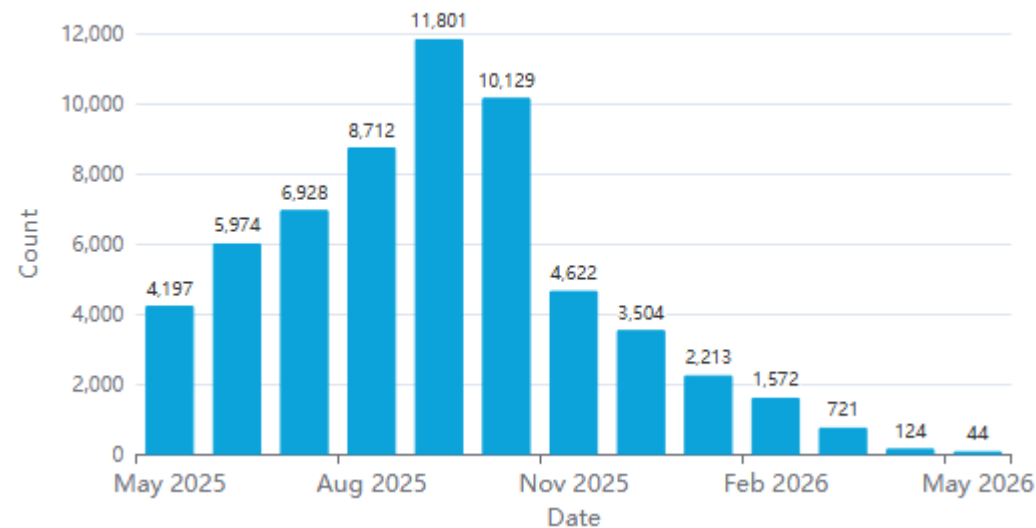
Variants of Interest (VOI)

WHO label	Lineage + additional mutations	Country first detected (community)	Spike mutations of interest	Year and month first detected	Impact on transmissibility	Impact on immunity	Impact on severity	Transmission in EU/EEA
Omicron	BA.2.86	n/a	I332V, D339H, R403K, V445H, G446S, N450D, L452W, N481K, 483del, E484K, F486P	n/a	Baseline (6)	Baseline (6-8)	Baseline	Community

Variants under monitoring

WHO label	Lineage + additional mutations	Country first detected (community)	Spike mutations of interest	Year and month first detected	Impact on transmissibility	Impact on immunity	Impact on severity	Transmission in EU/EEA
Omicron	NB.1.8.1	n/a	G184S, A435S, K478I	n/a	No evidence	No evidence	No evidence	Community
Omicron	XFG	n/a	S31P, K182R, K444R, N487D, T572I	n/a	No evidence	No evidence	No evidence	Dominant
Omicron	BA.3.2	South Africa	(r)	November 2024	No evidence	No evidence	No evidence	Community

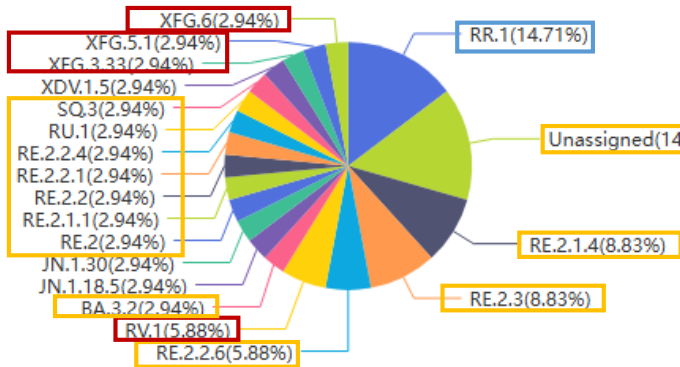
Počet sekvenací v GISAID pro WHO Evropský region



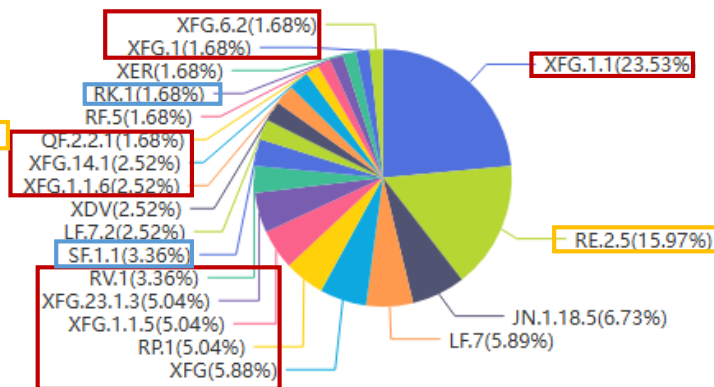
Distribuce variant SARS-CoV-2 v Evropě, Severní Americe a Asii k 1. 6. 2026

Kontinent	Evropa	Severní Amerika	Asie
Počet sekvenací	34	153	308

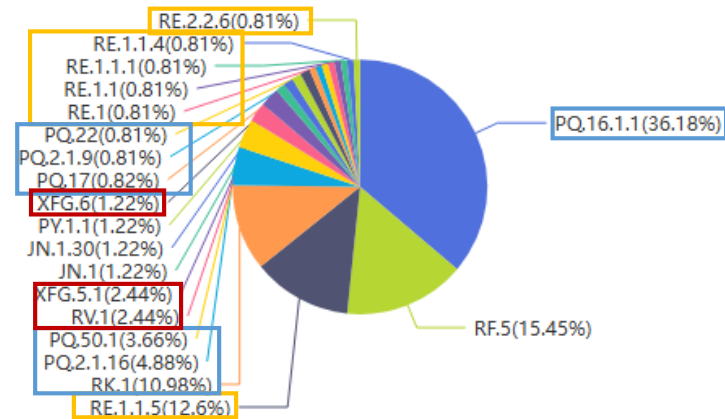
Evropa 25. 4. - 25. 5. 2026



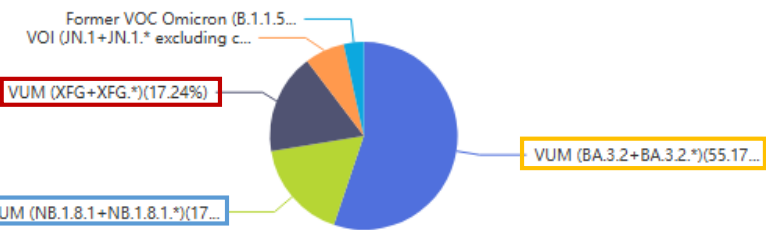
Severní Amerika 25. 4. - 25. 5. 2026



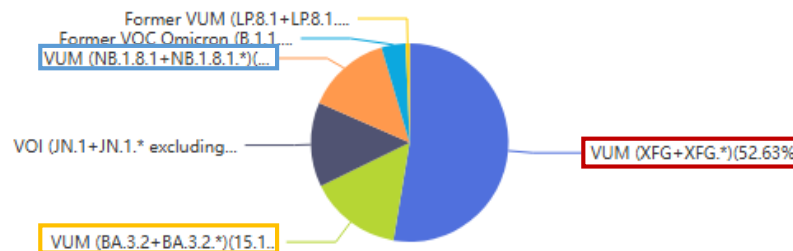
Asie 25. 4. - 25. 5. 2026



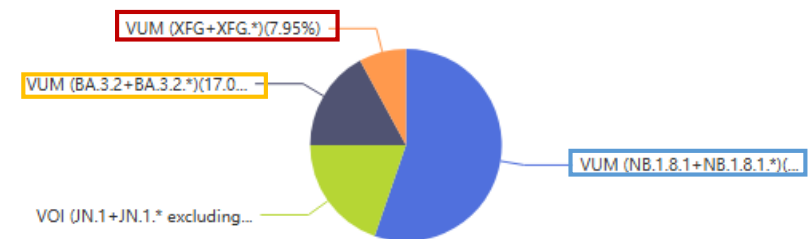
Evropa 25. 4. - 25. 5. 2026 (VUM)



Severní Amerika 25. 4. - 25. 5. 2026 (VUM)



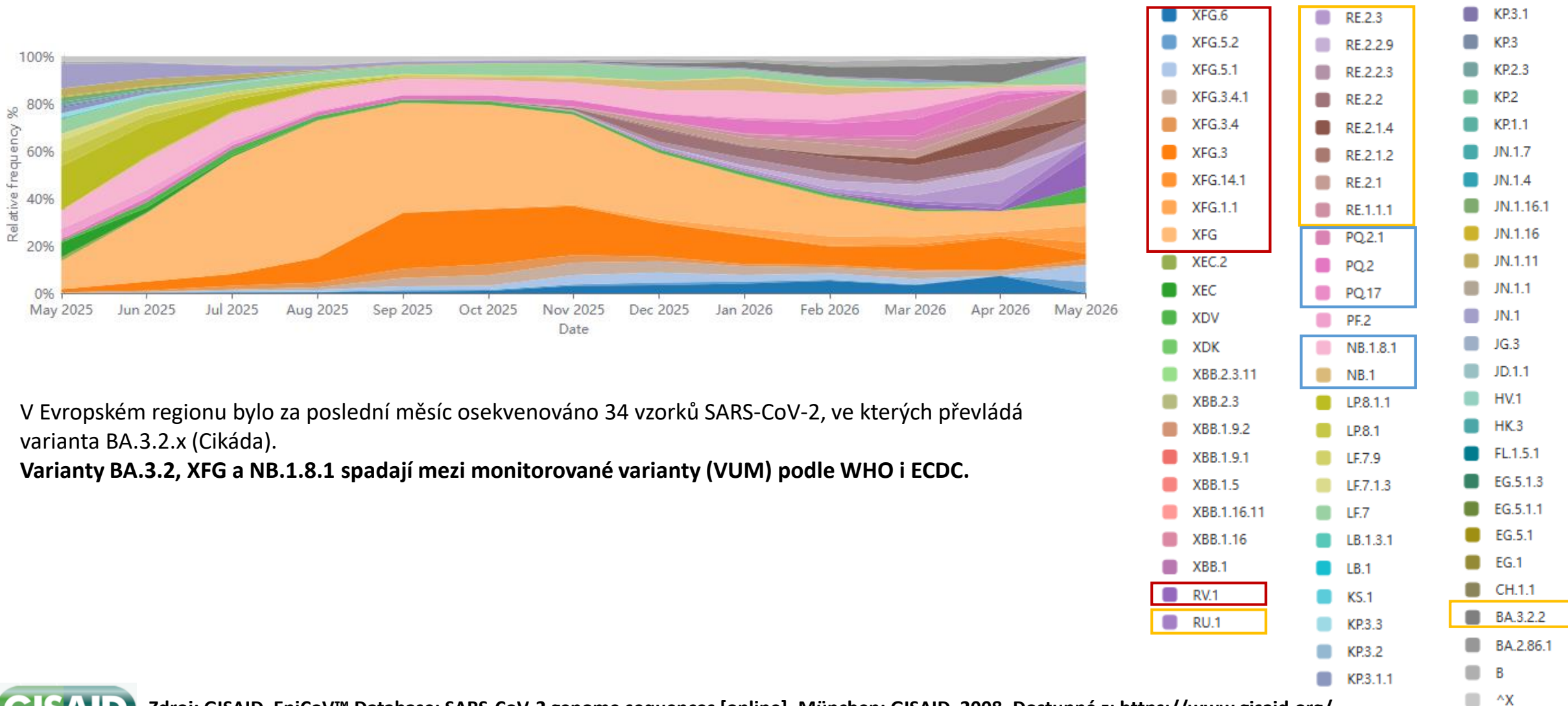
Asie 25. 4. - 25. 5. 2026 (VUM)



- BA.3.2.x (Cikáda)
- NB.1.8.1 (Nimbus)
- XFG.x (Stratus)

Z grafů (VUM) vyplývá, že na každém ze zobrazených kontinentů je různé zastoupení sledovaných variant (VUM). V Evropském regionu převládají varianty odvozené od BA.3.2.x (Cikáda). V severní Americe převládají varianty odvozené od XFG (Stratus) a v Asii je nejvyšší četnost variant odvozených od NB.1.8.1 (Nimbus).

Zastoupení variant SARS-CoV-2 v Evropě podle relativní frekvence v čase



V Evropském regionu bylo za poslední měsíc osekvenováno 34 vzorků SARS-CoV-2, ve kterých převládá varianta BA.3.2.x (Cikáda).

Varianty BA.3.2, XFG a NB.1.8.1 spadají mezi monitorované varianty (VUM) podle WHO i ECDC.

- Ve 22. KT byl zachycen jeden vzorek obsahující virus chřipky typu A.
- Dominantně cirkulujícími respiračními viry jsou nyní rhinoviry, které představují téměř polovinu všech pozitivních detekcí (40 %).
- Dalšími majoritně cirkulujícími respiračními viry jsou viry parainfluenzy (12,3 %) a metapneumoviry (12,3 %), adenoviry (9,2 %) a stále doznívá epidemie RSV (7,7 %).
- Podíl detekcí SARS-CoV-2 představuje 1,5 %.
- Celkový počet hlášených detekcí v non-sentinelové surveillance se i nadále snižuje, což svědčí pro končící respirační sezónu.

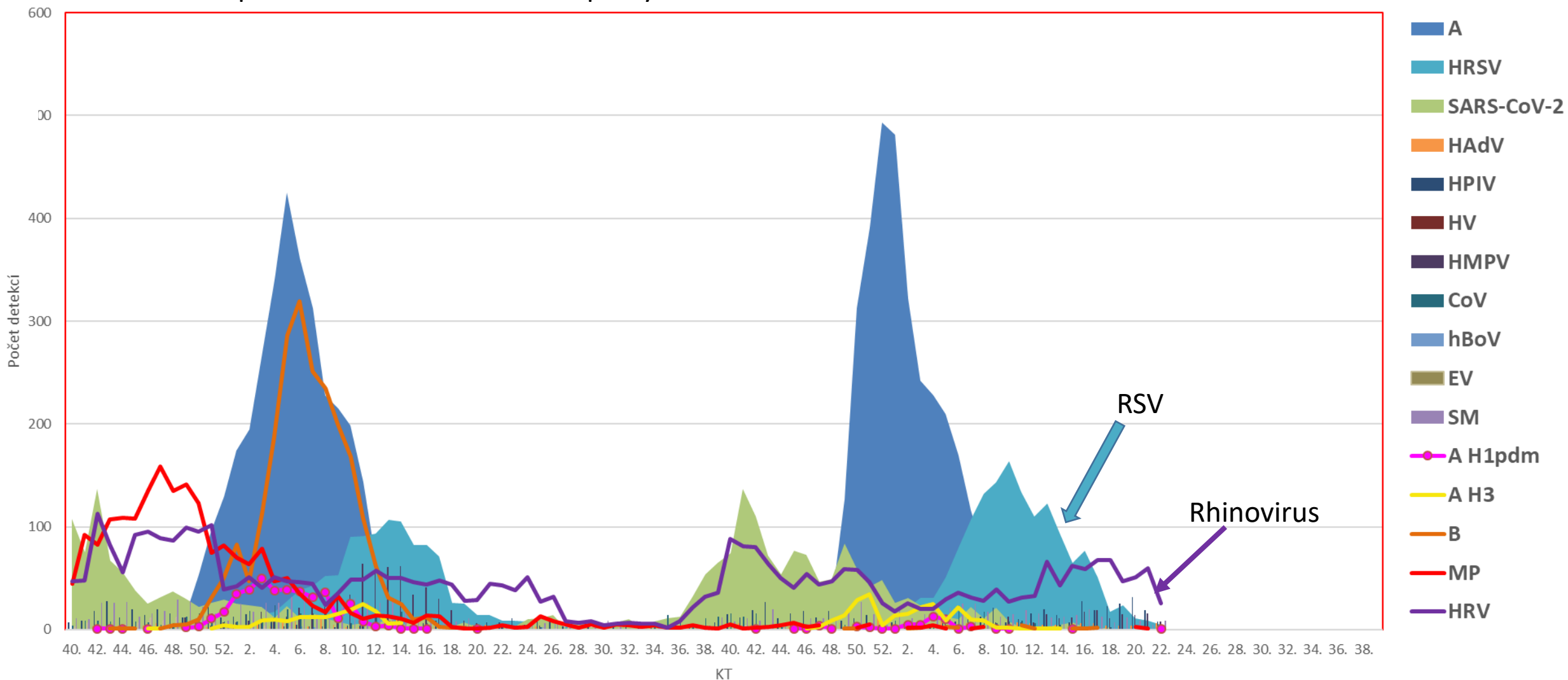
Virologická surveillance – data za 4 poslední KT

Kalendářní týden (KT)		19.	podíl	20.	podíl	21.	podíl	22.	podíl	Kumulativně od 36.KT
Detekce viru	A		0,0%	2	1,6%		0,0%		0,0%	3353
	A H ₁ pdm		0,0%		0,0%		0,0%	1	1,5%	56
	A H ₃		0,0%		0,0%		0,0%		0,0%	230
	B	1	0,8%		0,0%		0,0%		0,0%	24
	HRSV	24	18,5%	11	8,6%	9	7,8%	5	7,7%	1556
	HAdV	4	3,1%	4	3,1%	3	2,6%	6	9,2%	195
	HPIV	25	19,2%	32	25,0%	19	16,5%	8	12,3%	512
	HV		0,0%		0,0%	1	0,9%		0,0%	36
	MP		0,0%	3	2,3%	1	0,9%		0,0%	65
	HMPV	15	11,5%	14	10,9%	16	13,9%	8	12,3%	198
	CoV	1	0,8%	2	1,6%	1	0,9%	1	1,5%	239
	HRV	47	36,2%	51	39,8%	60	52,2%	26	40,0%	1725
	hBoV	1	0,8%		0,0%		0,0%		0,0%	20
	EV		0,0%		0,0%		0,0%		0,0%	34
	SARS-CoV-2		0,0%		0,0%		0,0%	1	1,5%	1309
	SM	12	9,2%	9	7,0%	5	4,3%	9	13,8%	503
	pozitivní	130	17,4%	128	17,5%	115	16,6%	65	14,1%	10055
	negativní	617		603		579		397		36803
Celkový počet vyšetření:		747		731		694		462		46858

Kalendářní týden (KT)		19.	podíl	20.	podíl	21.	podíl	22.	podíl	Kumulativně od 36.KT
	A bez subtypizace	0	0,0%	2	0,0%	0	0,0%	1	1,5%	3639
	B	1	0,8%	0	0,0%	0	0,0%	0	0,0%	24
	Celkem	1	0,8%	2	0,0%	0	0,0%	1	1,5%	3663

Legenda: A – Influenza A; B – Influenza B; HRSV - Respirační syncytiální virus; HAdV – Adenovirus; HPIV – Parainfluenza; HV - Herpetické viry; MP – Mycoplasma; HMPV – Metapneumovirus; CoV – Coronavirus; HRV – Rhinovirus; hBoV – Bocavirus; EV – Enterovirus; SM - Smišená infekce

Detekce respiračních virů – kumulativní počty



Legenda: A – Influenza A; B – Influenza B; HRSV - Respirační syncytiální virus; HAdV – Adenovirus; HPIV – Parainfluenza; MP – Mycoplasma; HMPV – Metapneumovirus;

CoV – Coronavirus; HV - Herpetické viry; HRV – Rhinovirus; hBoV – Bocavirus; EV – Enterovirus; SM - Smíšená infekce

EU/EHP 21. KT

- Evropská datavirologické surveillance k 21. KT nejsou k dispozici, mimo respirační sezónu jsou uveřejňována jednou za dva týdny.
- V Evropském regionu bylo za poslední měsíc osekvenováno 34 vzorků SARS-CoV-2, ve kterých převládá varianta BA.3.2.x (Cikáda).

Virologická surveillance ČR 22. KT

- Ve 22. KT byl zachycen jeden vzorek obsahující virus chřipky typu A.
- Dominantně cirkulujícími respiračními viry jsou nyní rhinoviry, které představují téměř polovinu všech pozitivních detekcí (40 %).
- Dalšími majoritně cirkulujícími respiračními viry jsou viry parainfluenzy (12,3 %) a metapneumoviry (12,3 %), adenoviry (9,2 %) a stále doznívá epidemie RSV (7,7 %).
- Podíl detekcí SARS-CoV-2 představuje 1,5 %.
- Celkový počet hlášených detekcí v non-sentinelové surveillance se i nadále snižuje, což svědčí pro končící respirační sezónu.

Komentář k epidemické situaci

- Epidemiologický souhrn byl ukončen v 10. KT a bude součástí zprávy pouze v mimořádných situacích. Data o nemocnosti nadále uvádíme na webu SZÚ.