Zpráva - virologická surveillance ARI/ILI včetně molekulární surveillance SARS-CoV-2 k 9/11/2026

NRL pro chřipku a nechřipková respirační virová onemocnění
Ing. Lucie Mrázková, Ph.D., Mgr. Jan Náhlovský, Alena Janypková, RNDr. Helena Jiřincová,. MUDr. Radomíra Limberková

EU/EHP 44. KT

Aktivita respiračních virů v primární i sekundární péči přes mírně vzestupnou tendenci zatím zůstává nízká.

Hlavní příčinou nemocnosti je SARS-CoV-2 s mediánem pozitivity 11 % v primární i sekundární péči. V rámci surveillance je hlášen rostoucí počet detekcí, většina záchytů v sekundární péči se týká osob nad 65 let věku.

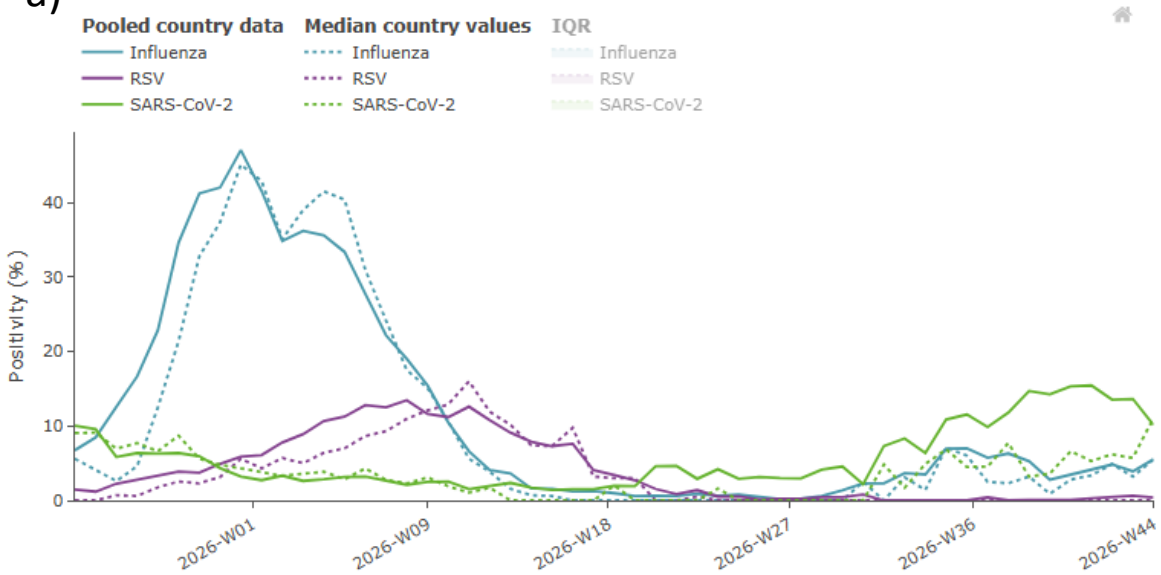
Aktivita viru chřipky zůstává stále nízká, ale od 37. KT je pozorován prakticky ve všech evropských zemích vyšší počet detekcí, než je pro toto období obvyklé. Epidemický práh nebyl v žádné zemi překročen. Hlavním těžištěm detekcí v sekundární péči je kohorta dospělých starších 65 let. Většinou je detekován virus chřipky typu A, v subtypizaci převažuje A/H1N1pdm 2009

Aktivita respiračního syncytiálního viru (RSV) je velmi nízká.

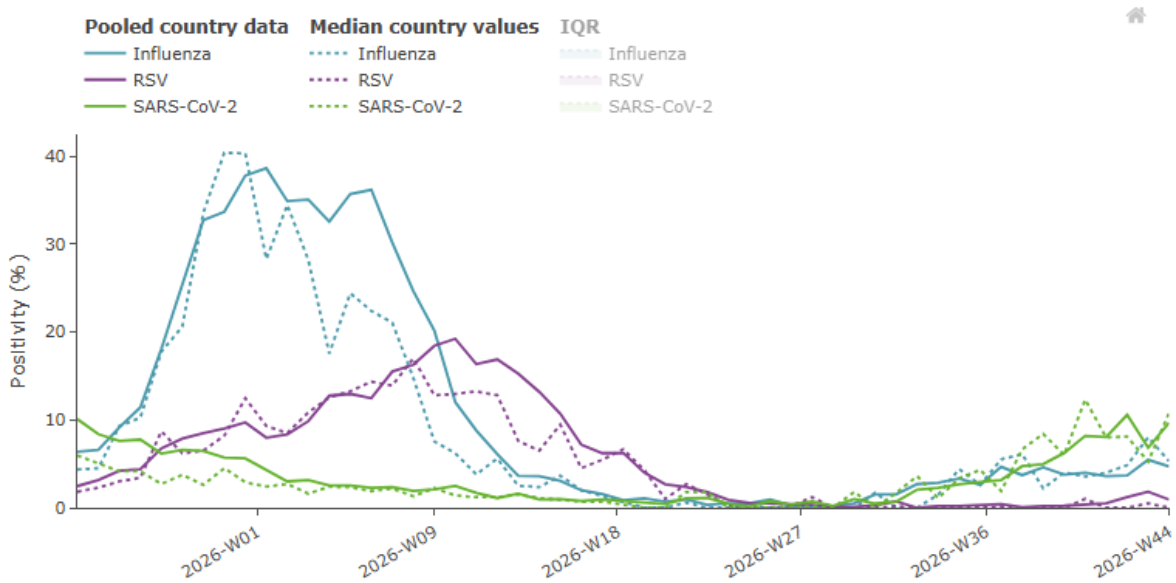
Zdroje: ERVISS. Dostupné z: https://www.erviss.org; GISAID. EpiCoV™ Database: SARS-CoV-2 genome sequences [online]. München: GISAID, 2008. Dostupné z: https://www.gisaid.org/

EU/EEA virologická surveillance: porovnání sentinel surveillance (a), SARI surveillance (b) a detekce SARI podle věku (c) v 44. KT 2026

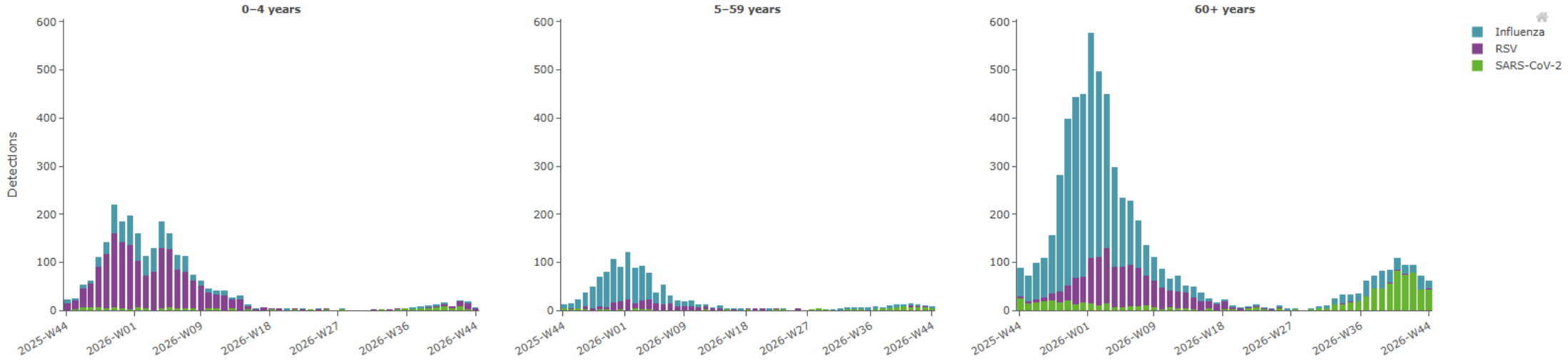
a)



b)



c)



Zdroj: ERVISS. Dostupné z: https://www.erviss.org

EU/EEA klíčové indikátory ARI/ILI, SARI přehled v 43. a 44. KT 2026

		Reporting countries		EU/EEA summary	
Indicator	Syndrome or pathogen	Week 44	Week 43	Description	Value
ILI/ARI consultation rates in primary care	ARI	16 rates (12 MEM)	17 rates (12 MEM)	Distribution of country MEM categories	7 Baseline 5 Low
	ILI	17 rates (14 MEM)	20 rates (16 MEM)		14 Baseline
ILI/ARI test positivity in primary care	Influenza	18	21	Pooled (median; IQR)	5.5% (5.5; 0.6–8.9%)
	RSV	18	19		0.4% (0; 0–0.1%)
	SARS-CoV-2	17	18		10% (11; 5.2–14%)
SARI rates in hospitals	SARI	9 rates (6 MEM)	11 rates (8 MEM)	Distribution of country MEM categories	5 Baseline 1 Low
SARI test positivity in hospitals	Influenza	6	8	Pooled (median; IQR)	4.7% (5.3; 2.6–11%)
	RSV	6	8		0.9% (0; 0–1.3%)
	SARS-CoV-2	5	7		9.7% (11; 7.2–16%)
Intensity (country-defined)	Influenza	9	12	Distribution of country qualitative categories	8 Baseline 1 Low

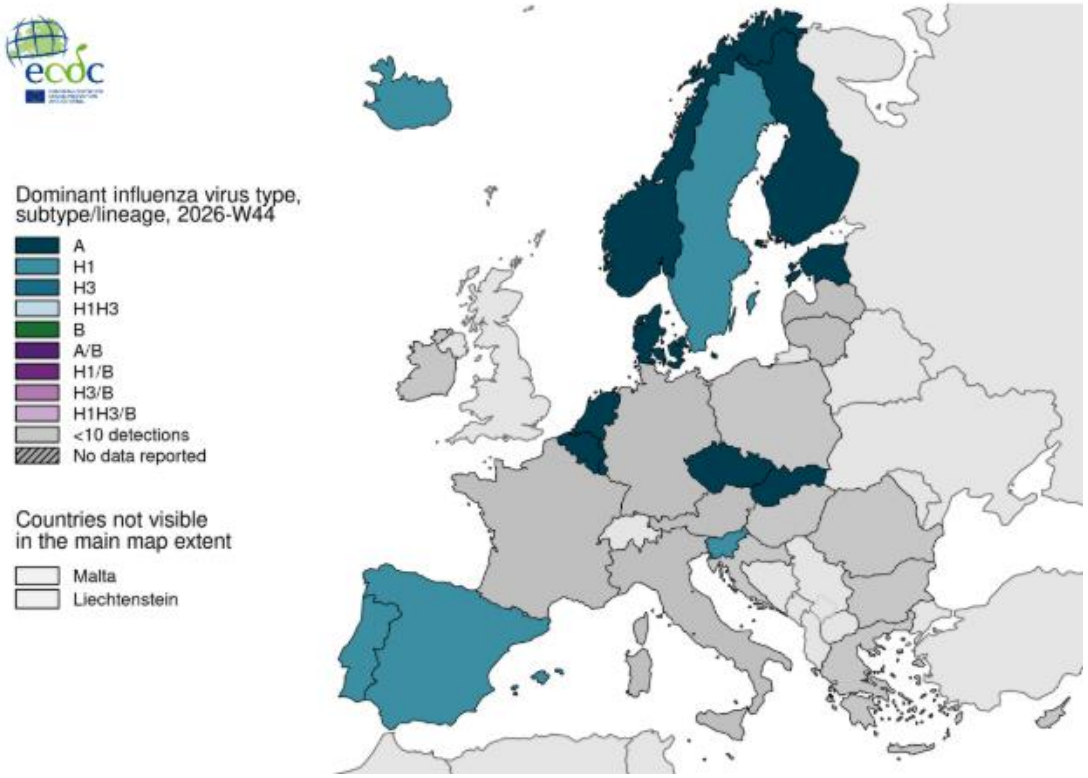
Zdroj: ERVISS. Dostupné z: https://www.erviss.org

ECDC Intenzita chřipkové aktivity a geografické rozšíření chřipky – 44. KT 2026

Intensity of influenza activity 2026-W44



Dominant influenza virus 2026-W44



Zdroj: ERVISS. Dostupné z: https://www.erviss.org

ECDC: SARS-CoV-2 monitorované varianty a varianty zájmu k 9. 11. 2026

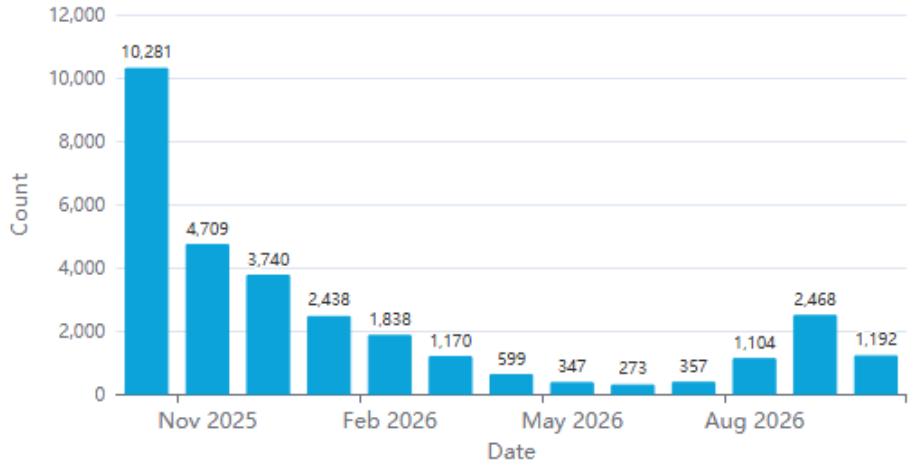
Variants of Interest (VOI)

WHO label	Lineage + additional mutations	Country first detected (community)	Spike mutations of interest	Year and month first detected	Impact on transmissibility	Impact on immunity	Impact on severity	Transmission in EU/EEA
Omicron	BA.2.86	n/a	I332V, D339H, R403K, V445H, G446S, N450D, L452W, N481K, 483del, E484K, F486P	n/a	Baseline (6)	Baseline (6-8)	Baseline	Community

Variants under monitoring

WHO label	Lineage + additional mutations	Country first detected (community)	Spike mutations of interest	Year and month first detected	Impact on transmissibility	Impact on immunity	Impact on severity	Transmission in EU/EEA
Omicron	NB.1.8.1	n/a	G184S, A435S, K478I	n/a	No evidence	No evidence	No evidence	Community
Omicron	XFG	n/a	S31P, K182R, K444R, N487D, T572I	n/a	No evidence	No evidence	No evidence	Dominant
Omicron	BA.3.2	South Africa	(r)	November 2024	No evidence	No evidence	No evidence	Community

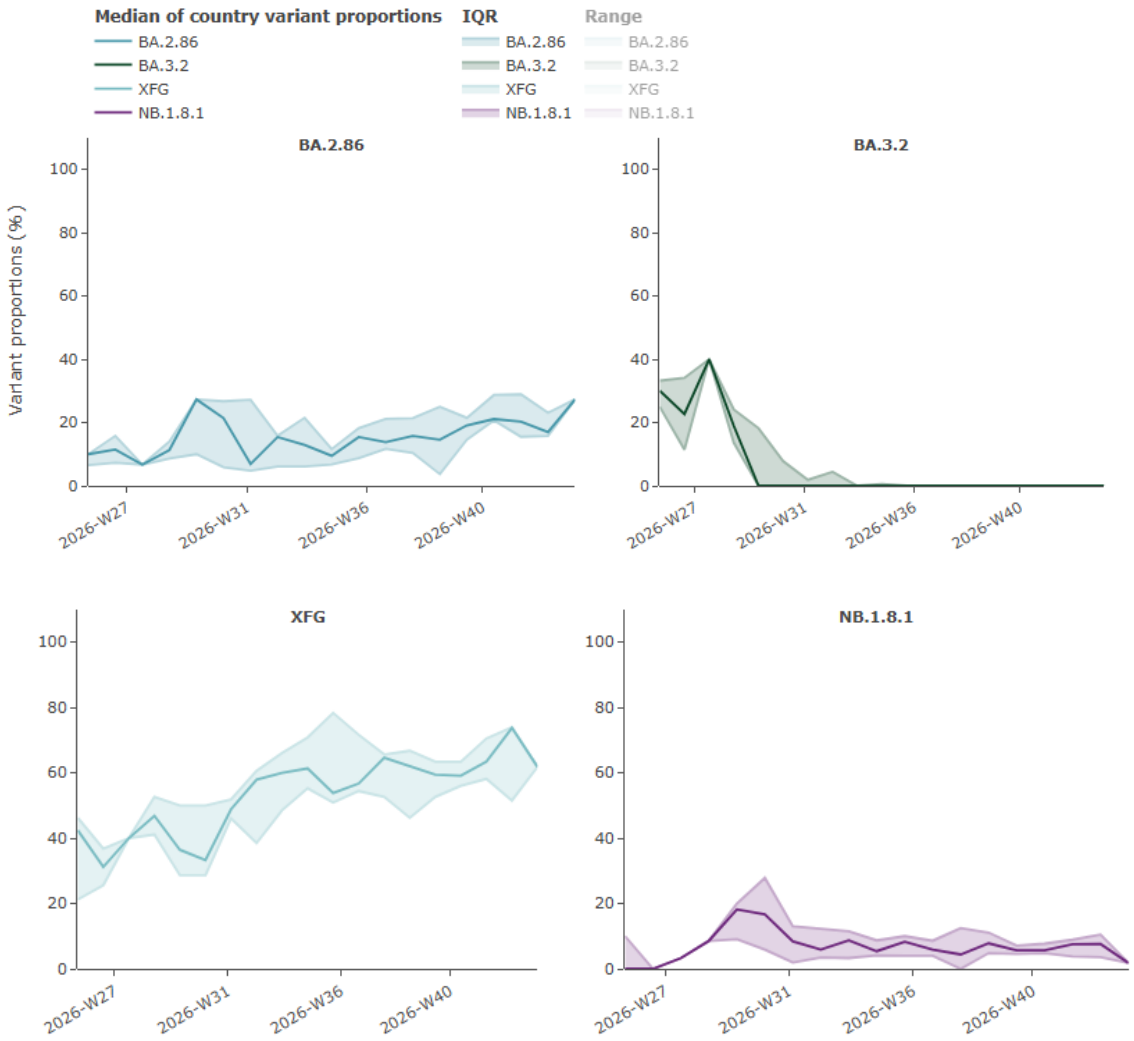
Počet sekvenací v GISAID pro WHO Evropský region



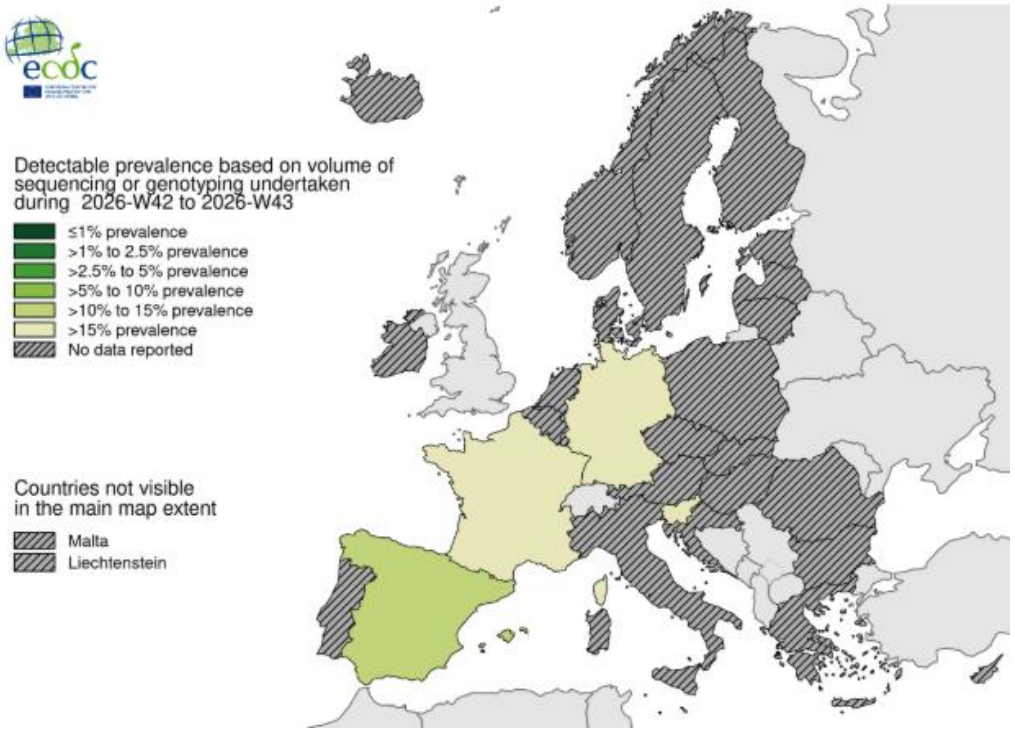
Zdroj: ERVISS. Dostupné z: https://www.erviss.org, GISAID dostupné na: https://www.epicov.org/
European Centre for Disease Prevention and Control. SARS-CoV-2 variants of concern as of 30 October 2026 [online]. Stockholm: ECDC, 2026. Dostupné na: https://www.ecdc.europa.eu

ECDC: SARS-CoV-2 monitorované varianty a varianty zájmu v Evropě k 9. 11. 2026

Distribuce sledovaných variant (BA.2.86, BA.3.2, XFG, NB.1.8.1)



Objem sekvenace v 42. a 43. týdnu 2026

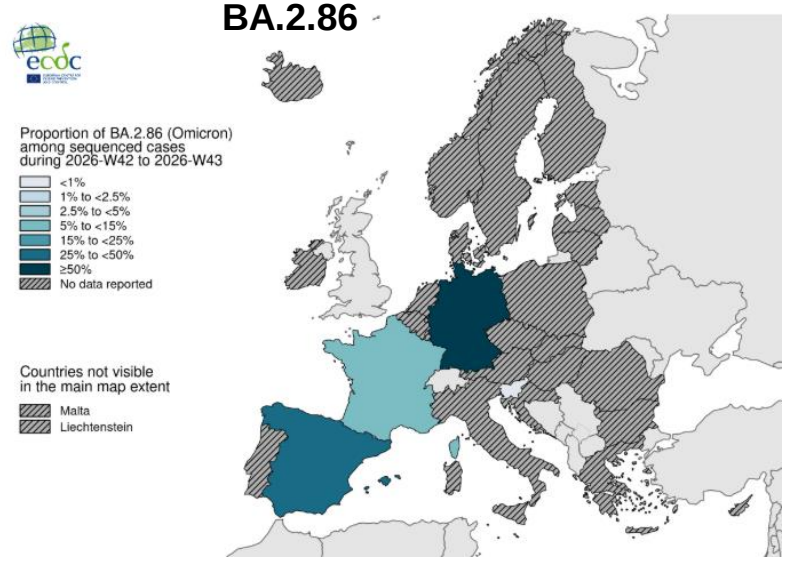


Zdroj: ERVISS. Dostupné z: https://www.erviss.org

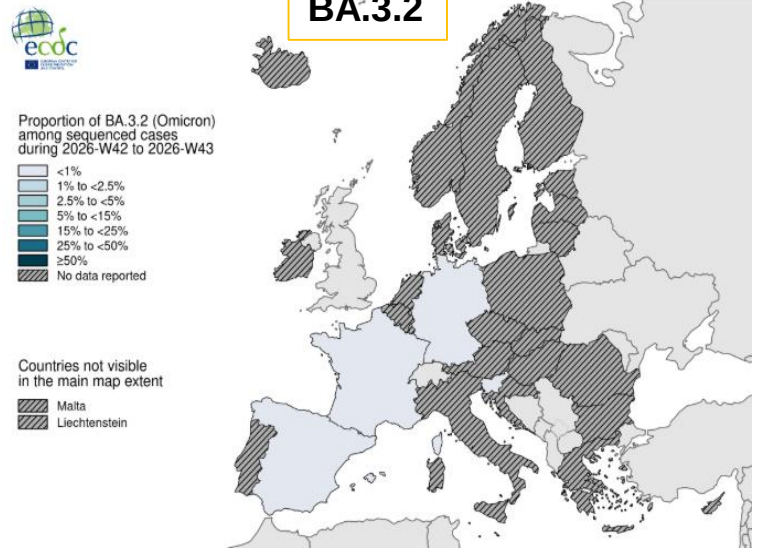
ECDC: SARS-CoV-2 monitorované varianty a varianty zájmu v Evropě 42. KT - 43. KT

Distribuce sledovaných variant v Evropě v 42. týdnu - 43. týdnu (BA.2.86, BA.3.2, XFG, NB.1.8.1)

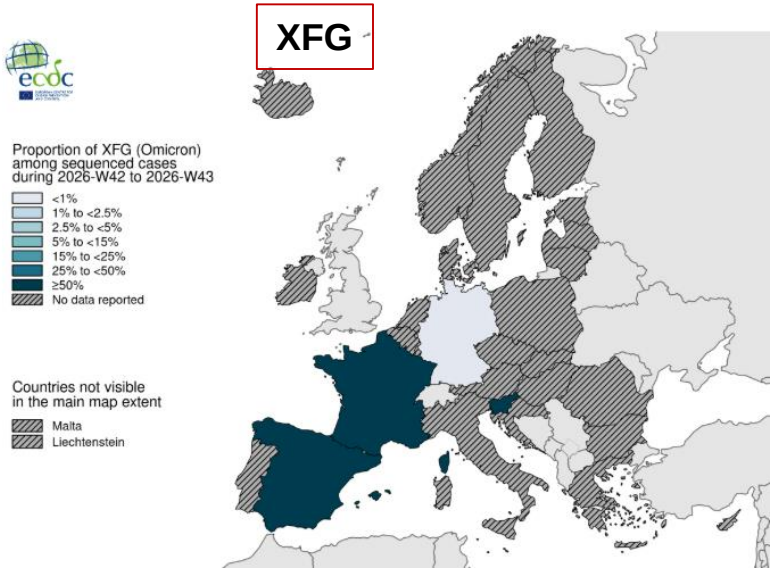
BA.2.86



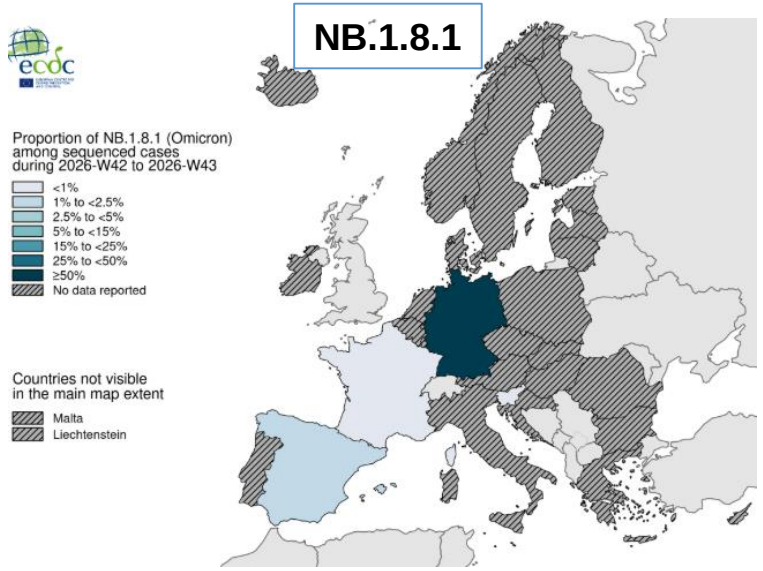
BA.3.2



XFG



NB.1.8.1



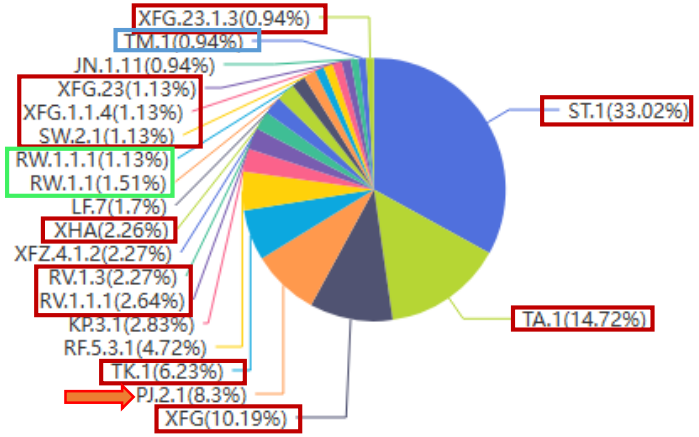
Z dat publikovaných na Erviss.org je patrné, že incidence BA.3.2.x (Cikáda) klesla, ze sledovaných variant se objevuje NB.1.8.1.x (Nimbus) a XFG.x (Stratus), který je nejrozšířenější variantou v Evropě. Mimo sledované varianty jsou zachycovány potomci BA.2.86.

Zdroj: ERVISS. Dostupné na: https://www.erviss.org

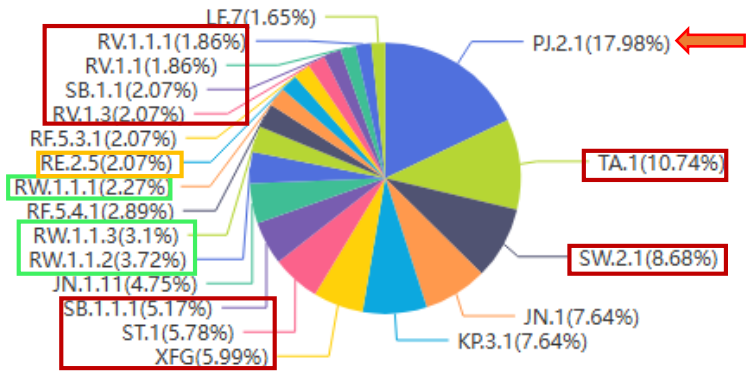
Distribuce variant SARS-CoV-2 v Evropě, Severní Americe a Asii k 9. 11. 2026

Kontinent	Evropa	Severní Amerika	Asie
Počet sekvenací	620	618	23

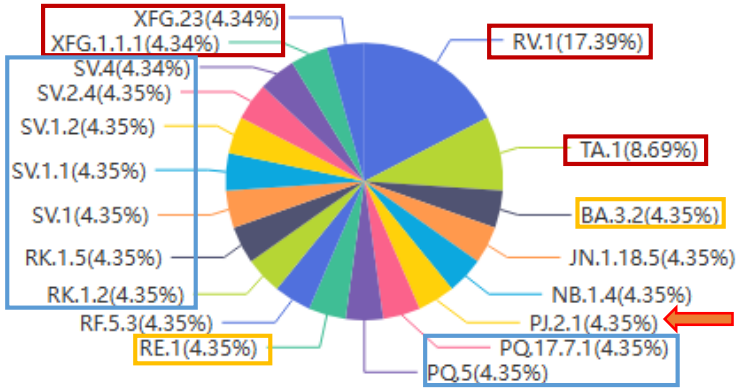
Evropa 9. 10. - 9. 11. 2026



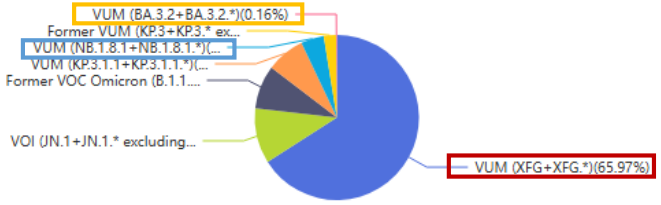
Severní Amerika 9. 10. – 9. 11. 2026



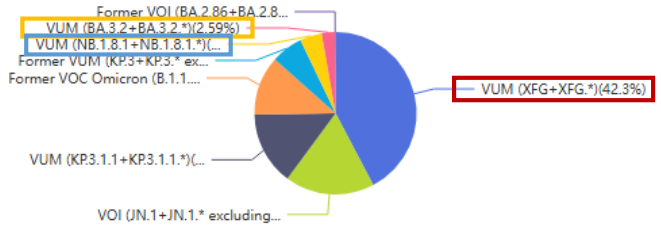
Asie 9. 10. - 9. 11. 2026



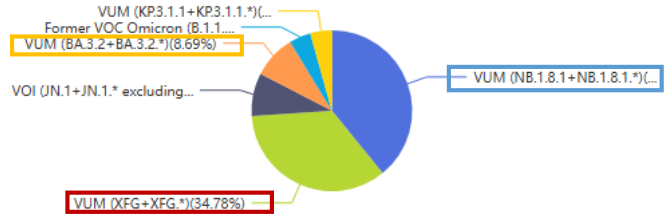
Evropa 9. 10. - 9. 11. 2026 (VUM)



Severní Amerika 9. 10. - 9. 11. 2026 (VUM)



Asie 9. 10. - 9. 11. 2026 (VUM)



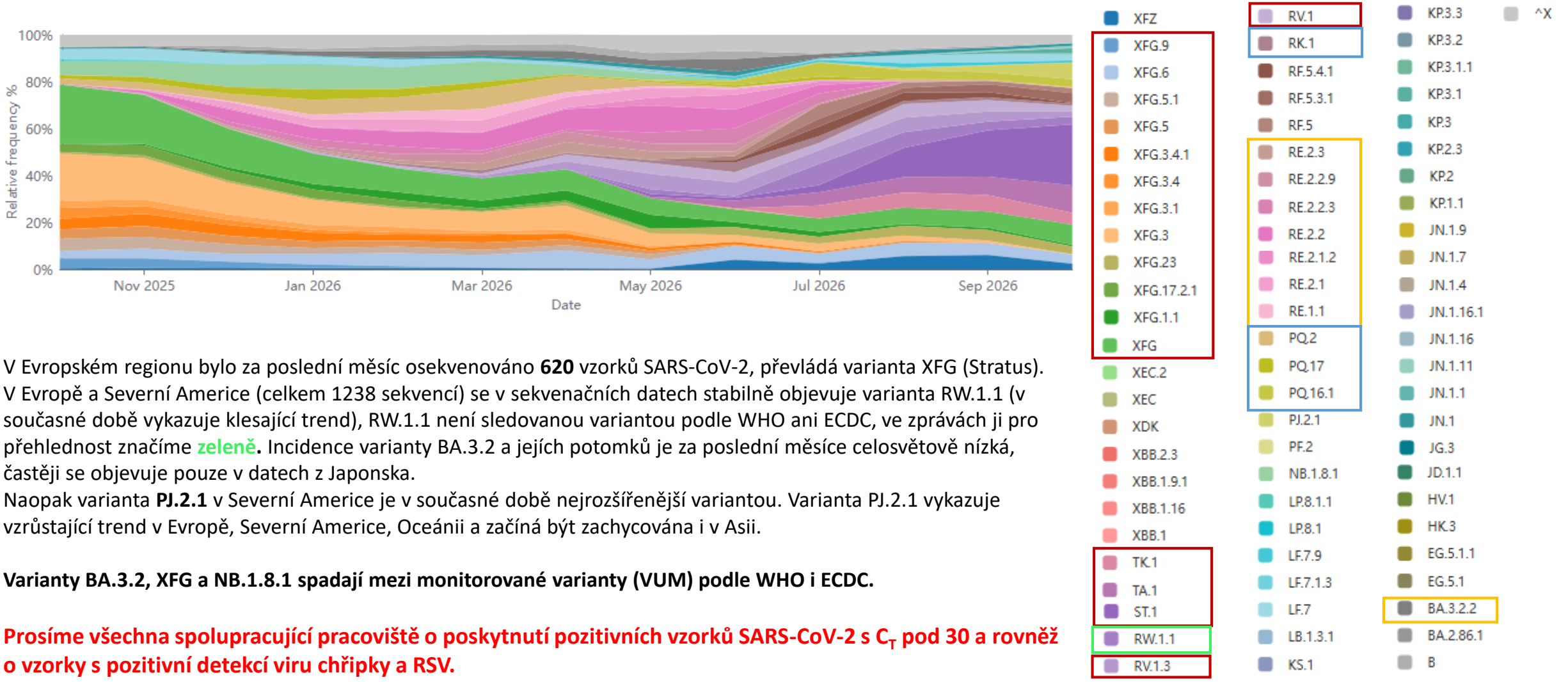
- BA.3.2.x (Cikáda)
- NB.1.8.1.x (Nimbus)
- XFG.x (Stratus)
- RW.1.1.x

V Evropě a Severní Americe u sledovaných variant převládá linie XFG.x (Stratus), v Asii stále převládá NB.1.8.1.x. V Severní Americe je nejzastoupenější variantou **PJ.2.1** (124 sekvencí v posledním měsíci, včetně vzorků určených jako KP.3.1), v Evropě stále zastoupení této varianty roste (59 sekvencí v posledním měsíci, včetně vzorků určených jako KP.3.1), v Asii byla varianta PJ.2.1 osekvenována jednou za poslední měsíc. Varianta KP.3.1 je špatně určená varianta PJ.2.1, algoritmus GISAIDu ji na rozdíl od Nextclade zatím nedokáže ve všech případech rozpoznat. V Asii velmi klesl počet sekvenovaných vzorků, stále zde převládá NB.1.8.1.x (Nimbus) a ve větší míře se objevuje XFG.x (Stratus).

Zdroj: GISAID. EpiCoV™ Database: SARS-CoV-2 genome sequences [online]. München: GISAID, 2008. Dostupné z: https://www.gisaid.org/

Výsledky sekvenace SARS-CoV-2 v Evropě, říjen 2025 - říjen 2026

Zastoupení variant SARS-CoV-2 v Evropě podle relativní frekvence v čase



V Evropském regionu bylo za poslední měsíc osekvenováno **620** vzorků SARS-CoV-2, převládá varianta XFG (Stratus). V Evropě a Severní Americe (celkem 1238 sekvencí) se v sekvenačních datech stabilně objevuje varianta RW.1.1 (v současné době vykazuje klesající trend), RW.1.1 není sledovanou variantou podle WHO ani ECDC, ve zprávách ji pro přehlednost značíme **zeleně.** Incidence varianty BA.3.2 a jejích potomků je za poslední měsíce celosvětově nízká, častěji se objevuje pouze v datech z Japonska.
Naopak varianta **PJ.2.1** v Severní Americe je v současné době nejrozšířenější variantou. Varianta PJ.2.1 vykazuje vzrůstající trend v Evropě, Severní Americe, Oceánii a začíná být zachycována i v Asii.

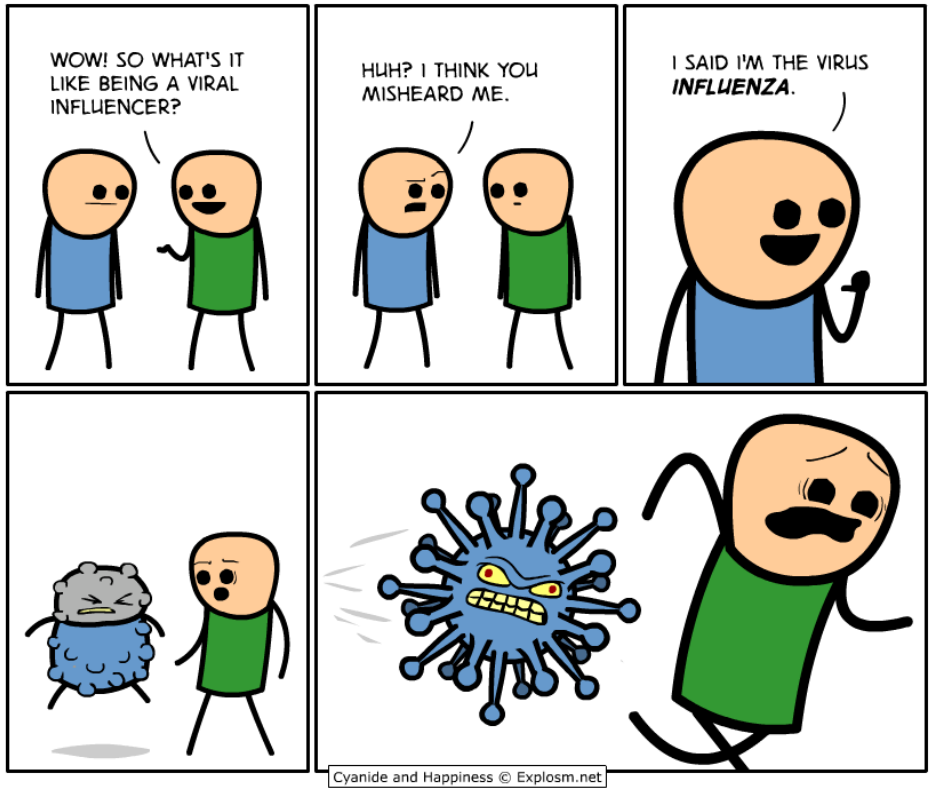
Varianty BA.3.2, XFG a NB.1.8.1 spadají mezi monitorované varianty (VUM) podle WHO i ECDC.

Prosíme všechna spolupracující pracoviště o poskytnutí pozitivních vzorků SARS-CoV-2 s C_T pod 30 a rovněž o vzorky s pozitivní detekcí viru chřipky a RSV.

Zdroj: GISAID. EpiCoV™ Database: SARS-CoV-2 genome sequences [online]. München: GISAID, 2008. Dostupné z: https://www.gisaid.org/

Vtip pro 45.KT

Dobrý den, vážení čtenáři,
Zavedli jsme novou rubriku vtip pro kalendářní týden, která má za cíl zpříjemnit čtení našich pravidelných týdenních zpráv a zároveň podpořit jejich dosah. Pro vás, kteří nás sledujete dlouhodobě, chceme doplnit seriózní odborné informace o jeden korektní, tematický vtip z oblasti epidemiologie, virologie či příbuzných oborů. Budeme rádi, pokud se na této rubrice budete podílet. Pokud narazíte na tematicky vhodný vtip, který by se hodil k publikaci v našich zprávách, budeme velmi rádi, když nám jej zašlete — buď přímo mně (lucie.mrazkova@szu.gov.cz), nebo kterémukoli z mých spoluautorů (jmeno.prijmeni@szu.gov.cz), do předmětu prosím uveďte vtip.
Těšíme se na vaše podněty.
S pozdravem a přáním pěkného dne tým NRL pro chřipku a nechřipková respirační virová onemocnění.



Zdroj: EXPLOSM. Cyanide & Happiness: Viral Influencer [online comic strip]. Explosm.net [cit. 2026-11-09]. Dostupné z: https://explosm.net.

ARI/ILI: sentinel/nonsentinel virologická surveillance v ČR, 42. - 45. KT 2026

- 34. KT byl prvním týdnem, kdy byla potvrzena chřipka A/H1N1pdm v sentinel surveillance

- Ve 45. KT činil podíl pozitivních detekcí viru chřipky více než 7 %, což je pro tuto dobu neobvyklé, ale údaje korespondují s epidemickou situací na severní polokouli. Ve shodě s evropskými daty i v ČR převažuje detekce A/H1pdm nad subtypem A/H3. Výsledky subtypizace non-sentinelových detekcí zatím nejsou z technických důvodů k dispozici.

- V rámci sentinelové a nonsentinelové surveillance respiračních virů dominují detekce rhinovirů (42,7 %), virů parainfluenzy (17,7 %) a SARS-CoV-2 (13,7 %), sezonní koronaviry jsou detekovány ve 4 % pozitivních detekcí.

- Časné detekce viru chřipky lze vysvětlit častějším nástupem cirkulace viru chřipky prakticky na celé severní polokouli.

Virologická surveillance – data za 4 poslední KT

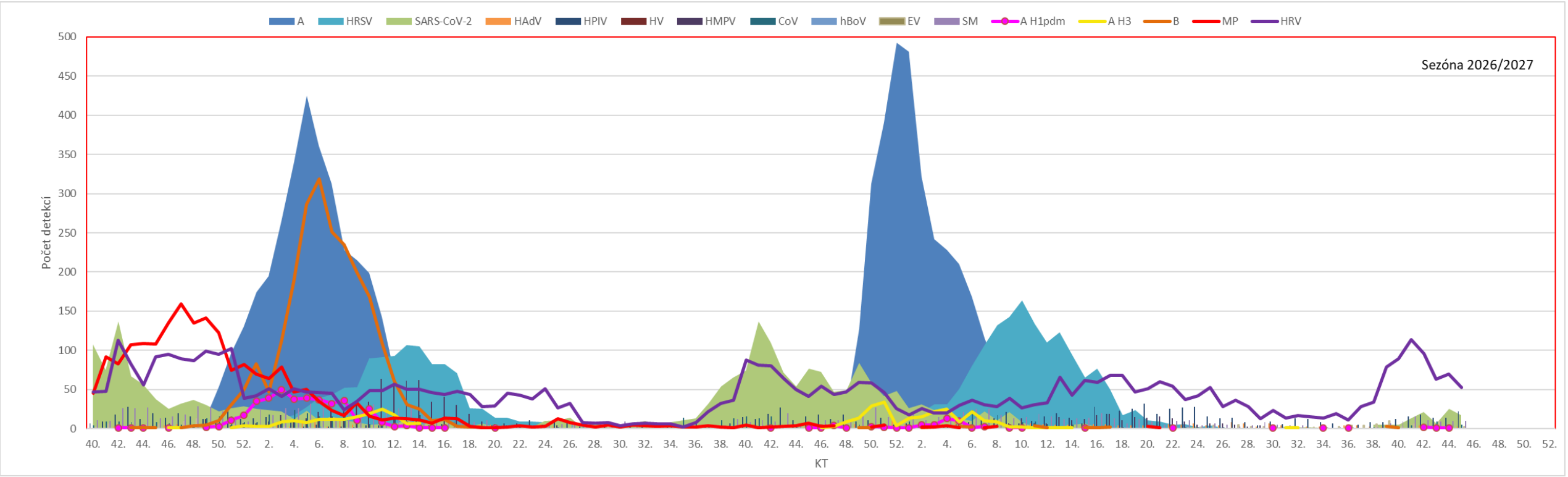
Kalendářní týden (KT)		42	podíl	43.	podíl	44.	podíl	45.	podíl	Kumulativně od 40.KT
Detekce viru	A	2	1,2%	3	2,5%	12	8,1%	9	7,3%	34
	A H_1pdm	2	1,2%	1	0,8%	1	0,7%		0,0%	4
	A H_3		0,0%		0,0%		0,0%		0,0%	0
	B	1	0,6%		0,0%		0,0%	1	0,8%	3
	HRSV	1	0,6%	2	1,7%	2	1,4%		0,0%	6
	HAdV	4	2,4%	2	1,7%	1	0,7%	3	2,4%	14
	HPIV	18	10,7%	14	11,8%	14	9,5%	22	17,7%	96
	HV		0,0%		0,0%		0,0%		0,0%	0
	MP		0,0%		0,0%		0,0%	1	0,8%	2
	HMPV	4	2,4%		0,0%	1	0,7%		0,0%	6
	CoV	6	3,6%	9	7,6%	1	0,7%	5	4,0%	26
	HRV	96	56,8%	63	52,9%	70	47,3%	53	42,7%	485
	hBoV		0,0%		0,0%		0,0%		0,0%	0
	EV	3	1,8%	9	7,6%	4	2,7%	3	2,4%	28
	SARS-CoV-2	21	12,4%	7	5,9%	25	16,9%	17	13,7%	88
	SM	11	6,5%	9	7,6%	10	6,8%	10	8,1%	65
	pozitivní	169	18,3%	119	14,9%	141		124		857
	negativní	755	722	679	1041	600		735		4025
Celkový počet vyšetření:		924		798		741		859		4882

Virologická surveillance – detekce viru chřipky za 4 poslední KT

Kalendářní týden (KT)		42	Podíl	43	podíl	44	podíl	45	podíl	Kumulativně od 40 KT
	A bez další subtypizace	4	2,4%	4	3,4%	13	9,2%	9	7,3%	38
	B	1	0,6%	0	0,0%	0	0,0%	1	0,8%	3
	Celkem	5		4		13		10		41

Legenda: A – Influenza A; B – Influenza B; HRSV - Respirační syncytiální virus; HAdV – Adenovirus; HPIV – Parainfluenza; HV - Herpetické viry; MP – Mycoplasma; HMPV – Metapneumovirus; CoV – Coronavirus; HRV – Rhinovirus; hBoV – Bocavirus; EV – Enterovirus; SM - Smíšená infekce

ARI/ILI: sentinel/nonsentinel virologická surveillance v ČR, 40. KT 2024 - 45. KT 2026



Legenda: A – Influenza A; B – Influenza B; HRSV - Respirační syncytiální virus; HAdV – Adenovirus; HPIV – Parainfluenza; HV - Herpetické viry; MP – Mycoplasma; HMPV – Metapneumovirus; CoV – Coronavirus; HRV – Rhinovirus; hBoV – Bocavirus; EV – Enterovirus; SM - Smíšená infekce

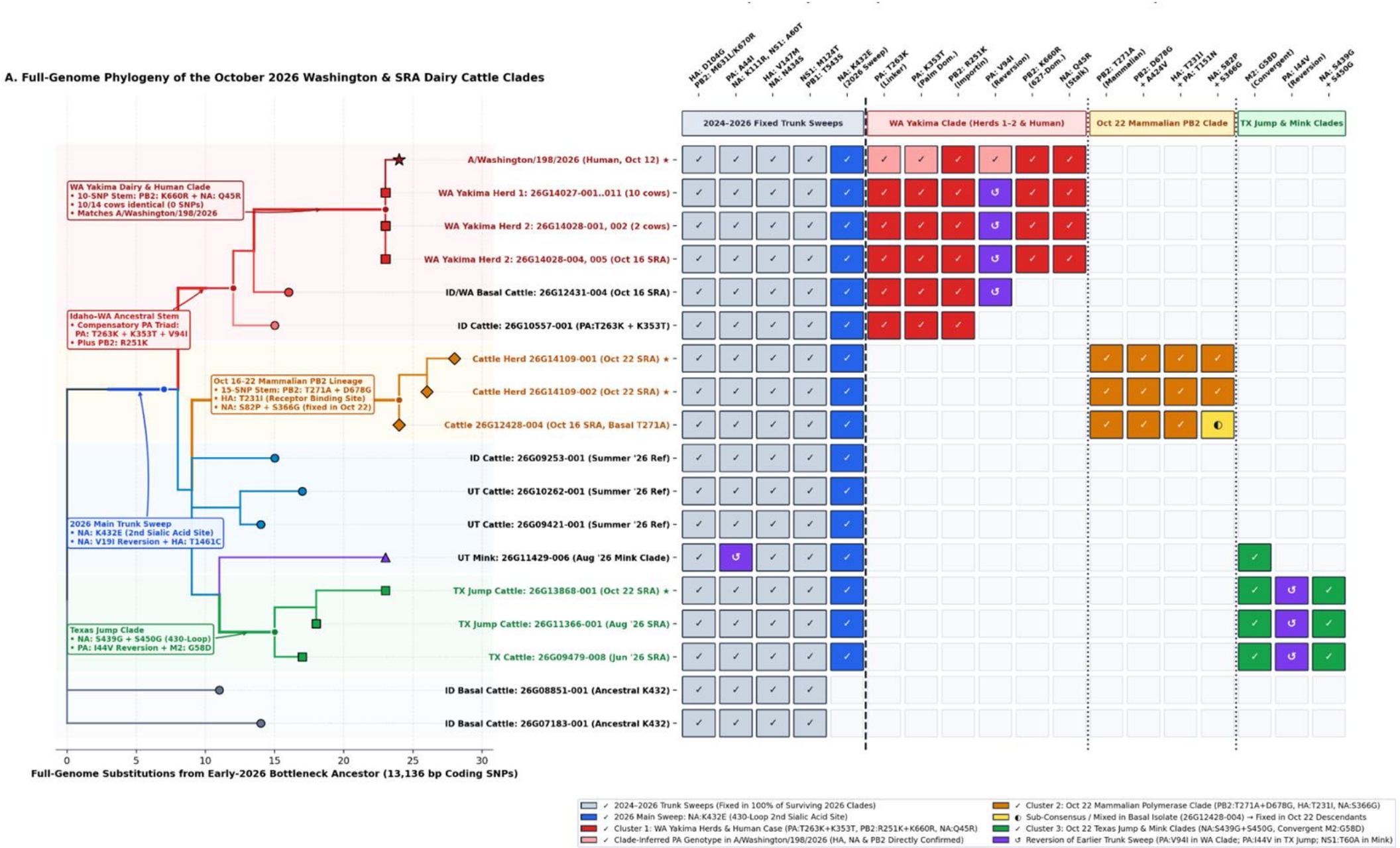
Epizoocie A/H5N1 na kožešinové farmě – chov norků, USA

- Postiženou farmou je C&T Fenn Farms v Utahu. Přesný celkový počet chovaných, nakažených a uhynulých norků v citovaných zdrojích zveřejněn není [1]. Podle zveřejněné komunikace úřadů majitel v srpnu očekával, že bez zásahu ztratí přibližně 80 % chovu [2].
- USDA APHIS uvádí sedm pozitivních záznamů u norků v zajetí, s datem odběru 7. srpna 2026 a datem detekce 17. srpna 2026. V databázi GISAID je uveřejněno 6 kompletních WGS a 4 neúplné genomy [3]. Dle WGS 10 vzorků z 10 zvířat odebraných 7. srpna spadají do klády B3.13 (cirkulující ve stádech dojných krav v USA) genotypu ggFlu - E.2. Sekvence obsahují mutace spojované s antigenním driftem či únikem před imunitní odpovědí a s mírnou rezistencí k antivirotikům [3, 4]. Studie odhaduje datum posledního společného předka virů detekovaných u norků na 4. července 2026, s 95% HPD intervalem 21. června až 15. července. Jde o fylogenetický odhad, nikoli přímo zjištěné datum zavlečení. Je zřejmé, že virus nějakou dobu cirkuloval na farmě bez povšimnutí [4].
- Zpráva vydaná 6. listopadu nadále popisuje ohnisko jako pokračující. Zároveň uvádí nedostatek novějších vzorků, takže přesný virologický stav farmy k 9. 11. není potvrzen [5]. Podle říjnové reportáže nebyla zavedena formální karanténa; státní veterinářka vydala ústní omezení přesunů norků, hnoje a kadaverů z farmy [1].
- Podle listopadové zprávy plošná depopulace neproběhla [5].
- Úřady žádaly o nouzové povolení vakcinace. Dokumenty dostupné organizaci AWI do 4. září neprokazovaly poskytnutí vakcíny. Tento údaj nelze bez novějšího potvrzení vztáhnout na celý listopad [2].
- Zpráva z října uvádí, že neprobíhal aktivní monitoring pracovníků a pracovník se zarudlým okem nebyl doporučen k testování [6].
- K 6. listopadu nebyl zveřejněn ověřený počet otestovaných pracovníků; mluvčí CDC na otázku, zda byli pracovníci farmy testováni, neodpověděla. Nelze proto tvrdit, že infekce pracovníků byla laboratorně vyloučena [5].
- Stejná listopadová zpráva cituje USDA, podle něhož federální laboratoř nabídla vyšetření dalších vzorků, ale od státu je dosud neobdržela. Dostupné srpnové sekvence tedy neumožňují posoudit následný genetický vývoj viru na farmě [4, 5].

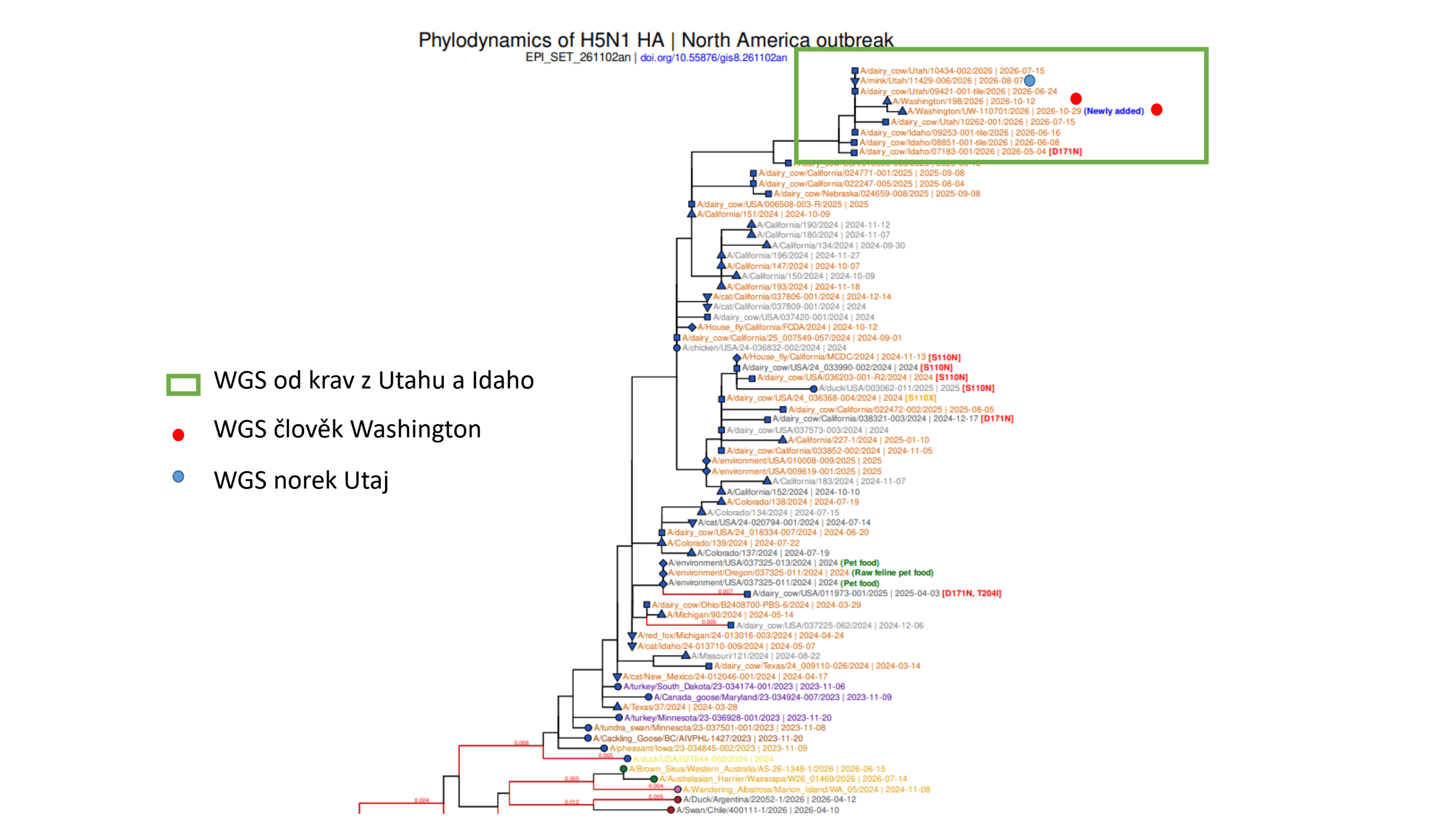
Zdroje:

- [1] THE SALT LAKE TRIBUNE. Utah bird flu outbreak could spark a human pandemic, but officials won't act. Online. 26. 10. 2026. Dostupné z: https://www.sltrib.com/news/environment/2026/10/26/utah-bird-flu-outbreak-could-spark/. [cit. 2026-11-09].
- [2] ANIMAL WELFARE INSTITUTE. Records Request Reveals Unhurried, Inadequate Response to Bird Flu Outbreak in Utah Farmed Mink. Online. 17. 9. 2026. Dostupné z: https://awionline.org/news/records-request-reveals-unhurried-inadequate-response-to-bird-flu-outbreak-in-utah-farmed-mink/. [cit. 2026-11-09].
- [3] UNITED STATES DEPARTMENT OF AGRICULTURE, ANIMAL AND PLANT HEALTH INSPECTION SERVICE. Detections of Highly Pathogenic Avian Influenza in Mammals. Online. Průběžně aktualizovaná databáze. Dostupné z: https://www.aphis.usda.gov/livestock-poultry-disease/avian/avian-influenza/hpai-detections/mammals. [cit. 2026-11-09].
- [4] CRESPO-BELLIDO, Alvin; HAVENS, Jennifer L.; PEACOCK, Thomas P.; DÉBARRE, Florence a NELSON, Martha I. Preliminary report on H5N1 highly pathogenic avian influenza in Utah mink, August 2026. Online. Virological. 22. 10. 2026. Dostupné z: https://virological.org/t/preliminary-report-on-h5n1-highly-pathogenic-avian-influenza-in-utah-mink-august-2026/1050. [cit. 2026-11-09].
- [5] THE SALT LAKE TRIBUNE. Bird flu death in Washington state renews concern as virus spreads. Online. 6. 11. 2026. Převzato z The New York Times. Dostupné z: https://www.sltrib.com/news/2026/11/06/bird-flu-death-washington-state/. [cit. 2026-11-09].
- [6] UTAH PUBLIC RADIO. Why are experts worried about bird flu on a Utah mink farm? Online. 27. 10. 2026. Dostupné z: https://www.upr.org/utah-news/2026-10-27/bird-flu-utah-mink-farm-virus-pandemic. [cit. 2026-11-09].

USA: H5N1 analýza aktuálních adaptačních mutací u virů cirkulujících u krav, v chovu norků, a u člověka



KOSAKOVSKY POND, Sergei L. *One Clonal Spark, Three Diverging Paths: What 19 New H5N1 Cattle Genomes Reveal About Selection, Scale, and Timing*. Online. Blogový příspěvek. 27. října 2026. Dostupné z: https://spond.github.io/CV.js/blog/2026-10-27-h5n1-wa-cattle.html. [cit. 2026-11-09].


Phylodynamics of H5N1 HA | North America outbreak
EPI_SET_261102an | doi.org/10.55876/gis8.261102an
WGS od krav z Utahu a Idaho
WGS člověk Washington
WGS norek Utaj
A/dairy_cow/Utah/10434-002/2026 | 2026-07-15
A/mink/Utah/11429-006/2026 | 2026-08-07
A/dairy_cow/Utah/09421-001-tile/2026 | 2026-06-24
A/Washington/198/2026 | 2026-10-12
A/Washington/UW-110701/2026 | 2026-10-29 (Newly added)
A/dairy_cow/Utah/10262-001/2026 | 2026-07-15
A/dairy_cow/Idaho/09253-001-tile/2026 | 2026-06-16
A/dairy_cow/Idaho/08851-001-tile/2026 | 2026-06-08
A/dairy_cow/Idaho/07183-001/2026 | 2026-05-04 [D171N]
A/dairy_cow/California/024771-001/2025 | 2025-09-08
A/dairy_cow/California/022247-005/2025 | 2025-08-04
A/dairy_cow/Nebraska/024659-008/2025 | 2025-09-08
A/dairy_cow/USA/006508-003-R/2025 | 2025
A/California/151/2024 | 2024-10-09
A/California/190/2024 | 2024-11-12
A/California/180/2024 | 2024-11-07
A/California/134/2024 | 2024-09-30
A/California/196/2024 | 2024-11-27
A/California/147/2024 | 2024-10-07
A/California/150/2024 | 2024-10-09
A/California/193/2024 | 2024-11-18
A/cat/California/037806-001/2024 | 2024-12-14
A/cat/California/037809-001/2024 | 2024
A/dairy_cow/USA/037420-001/2024 | 2024
A/House_fly/California/FCDA/2024 | 2024-10-12
A/dairy_cow/California/25_007549-057/2024 | 2024-09-01
A/chicken/USA/24-036832-002/2024 | 2024
A/House_fly/California/MCDC/2024 | 2024-11-13 [S110N]
A/dairy_cow/USA/24_033990-002/2024 | 2024 [S110N]
A/dairy_cow/USA/036203-001-R2/2024 | 2024 [S110N]
A/duck/USA/003062-011/2025 | 2025 [S110N]
A/dairy_cow/USA/24_036368-004/2024 | 2024 [S110X]
A/dairy_cow/California/022472-002/2025 | 2025-08-05
A/dairy_cow/California/038321-003/2024 | 2024-12-17 [D171N]
A/dairy_cow/USA/037573-003/2024 | 2024
A/California/227-1/2024 | 2025-01-10
A/dairy_cow/California/033852-002/2024 | 2024-11-05
A/environment/USA/010008-009/2025 | 2025
A/environment/USA/009619-001/2025 | 2025
A/California/183/2024 | 2024-11-07
A/California/152/2024 | 2024-10-10
A/Colorado/138/2024 | 2024-07-19
A/Colorado/134/2024 | 2024-07-15
A/cat/USA/24-020794-001/2024 | 2024-07-14
A/dairy_cow/USA/24_018334-007/2024 | 2024-06-20
A/Colorado/139/2024 | 2024-07-22
A/Colorado/137/2024 | 2024-07-19
A/environment/USA/037325-013/2024 | 2024 (Pet food)
A/environment/Oregon/037325-011/2024 | 2024 (Raw feline pet food)
A/environment/USA/037325-011/2024 | 2024 (Pet food)
A/dairy_cow/USA/011973-001/2025 | 2025-04-03 [D171N, T204I]
A/dairy_cow/Ohio/B2408700-PBS-6/2024 | 2024-03-29
A/Michigan/90/2024 | 2024-05-14
A/dairy_cow/USA/037225-062/2024 | 2024-12-06
A/red_fox/Michigan/24-013016-003/2024 | 2024-04-24
A/cat/Idaho/24-013710-009/2024 | 2024-05-07
A/Missouri/121/2024 | 2024-08-22
A/dairy_cow/Texas/24_009110-026/2024 | 2024-03-14
A/cat/New_Mexico/24-012046-001/2024 | 2024-04-17
A/turkey/South_Dakota/23-034174-001/2023 | 2023-11-06
A/Canada_goose/Maryland/23-034924-007/2023 | 2023-11-09
A/Texas/37/2024 | 2024-03-28
A/turkey/Minnesota/23-036928-001/2023 | 2023-11-20
A/tundra_swan/Minnesota/23-037501-001/2023 | 2023-11-08
A/Cackling_Goose/BC/AIVPHL-1427/2023 | 2023-11-20
A/pheasant/Iowa/23-034845-002/2023 | 2023-11-09
A/duck/USA/027844-002/2024 | 2024
A/Brown_Skua/Western_Australia/AS-26-1348-1/2026 | 2026-06-15
A/Australasian_Harrier/Wairarapa/W26_01469/2026 | 2026-07-14
A/Wandering_Albatross/Marion_Island/WA_05/2024 | 2024-11-08
A/Duck/Argentina/22052-1/2026 | 2026-04-12
A/Swan/Chile/400111-1/2026 | 2026-04-10

A/H5N1 USA – humánní případy

- V okrese Yakima ve státě Washington byly od října potvrzeny tři lidské infekce A(H5N1). Všichni nemocní byli v kontaktu s infikovaným skotem. Dva měli mírný průběh bez hospitalizace; třetí, s přidruženým onemocněním, byl hospitalizován se závažným průběhem a zemřel. Úmrtí a třetí případ byly oznámeny 1. listopadu. Další epidemiologické podrobnosti nebyly zveřejněny.
- Genomové sekvence tvoří skupinu s nedávnými vzorky z Idaha a Utahu v rámci linie **B3.13 / ggFlu E.2** a nesou mutaci v segmentu NA.
- USA –CDC celkem hlásí 74 případů (72 do října 2026), což je v rozporu s hlášenými současnými 3 případy (ECDC).



Zdroje:

- GISAID. Highly Pathogenic Avian Influenza Outbreak in the United States. Online. Dostupné z: https://gisaid.org/resources/gisaid-in-the-news/highly-pathogenic-avian-influenza-outbreak-in-the-united-states/. [cit. 2026-11-09].
- EUROPEAN CENTRE FOR DISEASE PREVENTION AND CONTROL. Avian influenza A(H5N1) human cases – United States – 2024–2026. Online. 3. listopadu 2026. Dostupné z: https://www.ecdc.europa.eu/en/public-health-events/2024-irv-00003/2026-11-03. [cit. 2026-11-09].
- CENTERS FOR DISEASE CONTROL AND PREVENTION. *A(H5) Bird Flu: Current Situation*. Online. Aktualizováno 5. listopadu 2026. Dostupné z: https://www.cdc.gov/bird-flu/situation-summary/index.html. [cit. 2026-11-09].

National Total Cases: 74

Cases	Exposure Source
44	Dairy Herds (Cattle)*
24	Poultry Farms and Culling Operations*
3	Other Animal Exposure†
3	Exposure Source Unknown‡

Závěr - Virologická surveillance ARI/ILI v ČR 45. KT 2026 a EU/EHP 44. KT

EU/EHP 44. KT

- Aktivita respiračních virů v primární i sekundární péči přes mírně vzestupnou tendenci zatím zůstává nízká.
- Hlavní příčinou nemocnosti je SARS-CoV-2 s mediánem pozitivity 11 % v primární i sekundární péči. Je hlášen rostoucí počet detekcí, většina detekcí v sekundární péči se týká osob nad 65 let věku.
- Aktivita viru chřipky zůstává stále nízká, ale od 37. KT je pozorován ve všech evropských zemích vyšší počet detekcí, než je pro toto období obvyklé. Epidemický práh nebyl v žádné zemi překročen. Hlavním těžištěm detekcí je kohorta dospělých starších 65 let. Většinou je detekován virus chřipky typu A, v subtypizaci převažuje A/H1N1pdm 2009.
- Aktivita respiračního syncytiálního viru (RSV) je velmi nízká.

Virologická surveillance ČR 45. KT

- 34. KT byl prvním týdnem, kdy byla potvrzena chřipka A/H1N1pdm v sentinel surveillance, ve 45. KT činil podíl pozitivních detekcí viru chřipky více než 7 %, což je pro tuto dobu neobvyklé, ale koresponduje s epidemickou situací na severní polokouli. Ve shodě s evropskými daty i v ČR převažuje detekce A/H1pdm nad subtypem A/H3. Výsledky subtypizace non-sentinelových detekcí zatím nejsou z technických důvodů k dispozici. Časné detekce viru chřipky lze vysvětlit častějším nástupem cirkulace viru chřipky prakticky na celé severní polokouli.
- V rámci sentinelové a nonsentinelové surveillance respiračních virů dominují detekce rhinovirů (42,7 %), virů parainfluenzy (17,7 %) a SARS-CoV-2 (13,7 %), sezonní koronaviry jsou detekovány ve 4 % pozitivních detekcí.

Epidemiologická surveillance ČR 45. KT

- Nemocnost ARI se pohybuje na hodnotě obvyklé pro toto roční období. Mezi jednotlivými kraji nejsou významné rozdíly.

USA A/H5N1

- Všechny aktuální sekvence od krav, norků i člověka tvoří poměrně homogenní větev, což je z hlediska evoluční adaptace viru ne zcela příznivé pro další vývoj k pandemické variantě. Znepokojivá je situace na kožešinové farmě, kde byla nákaza odhalena pozdě, a současná legislativa zřejmě neumožňuje podobný zásah jako u chovů drůbeže. Na stranách 13 – 16 je rozbor aktuální situace a fylogenetická analýza sekvenovaných vzorků.

Rádi bychom vás pozvali na Konzultační den Oddělení respiračních, střevních a exantematických virových nákaz a Oddělení epidemiologie, který se bude konat 26. 11. 2026 ve Velké posluchárně SZÚ, bližší informace naleznete na webových stránkách SZÚ.